

ตัวยับยั้งเอนไซม์อัลฟา-อะมิเลส (α -Amylase inhibitor) ในธรรมชาติพบในพืช หรือสร้างจากจุลินทรีย์ (Microorganisms) (1) ตัวยับยั้งนี้อาจเป็นสารที่มีน้ำหนักโมเลกุลต่ำหรือสูง

ตัวยับยั้งที่มีน้ำหนักโมเลกุลต่ำได้แก่ Salicylic acid, Abscisic acid, สารปฏิชีวนะ norjirimycin (5-Amino-5-deoxy-D-glycopyranose) และ oligosaccharide ที่มีน้ำหนักโมเลกุล 1500 ซึ่งสร้างจาก strain ของ streptomyces พวกอนุพันธ์ของ oligosaccharide และ polysaccharide ที่มีน้ำหนักโมเลกุลระหว่าง 5000-8000 เป็นตัวยับยั้งที่ดีของ α -Amylase สารดังกล่าวสร้างจาก species ของ Ampullariella และ Actinoplanes หลายชนิด

ส่วนตัวยับยั้งที่มีน้ำหนักโมเลกุลสูงเป็นสารพวกโปรตีนพบในพืช เช่นพบในข้าวสาลี (2, 3) ข้าวไรน์ ข้าวฟ่าง (2) ถั่วแดง (4) lima beans, runner beans, garbenzo beans, ถั่วแขก (lentils) และในมะม่วงดิบ แต่ไม่ปรากฏพบในข้าว ข้าวโพด

ผู้ทำการวิจัยได้ survey หาตัวยับยั้งในพืชหลายชนิดเช่น มันแกว ข้าวเหนียว มันฝรั่ง หัวกลอย มันเทศ และหัวเผือก แต่พบในหัวเผือกและมันเทศเท่านั้น

ในการทำการวิจัยนี้ตอนแรกได้แยก α -Amylase จากน้ำลายของคน และตอนหลังได้ศึกษาคุณสมบัติบางอย่างของตัวยับยั้งเอนไซม์อัลฟา-อะมิเลสที่สกัดจากหัวเผือก (Taro root)

1.1 เผือก (Taro, Eddo, Cocoyam)

ชื่อวิทยาศาสตร์ - *Colocasia esculenta* (5, 6)

สกุล - *Colocasia*

วงศ์ - *Araceae*

เป็นพืชหัว ที่กินได้ขึ้นอยู่ทั่วไปในแถบเขตร้อน เจริญเติบโตได้ดีบริเวณใกล้ ๆ แหล่งน้ำหรือที่ ๆ มีความชื้นพอเพียง เป็นพืชพื้นเมืองของเอเชียตะวันออกเฉียงใต้ และกระจายไปอยู่แถบ polynesia และหมู่เกาะปาซิฟิก ต่อมาได้นำไปปลูกในอเมริกาและแอฟริกา

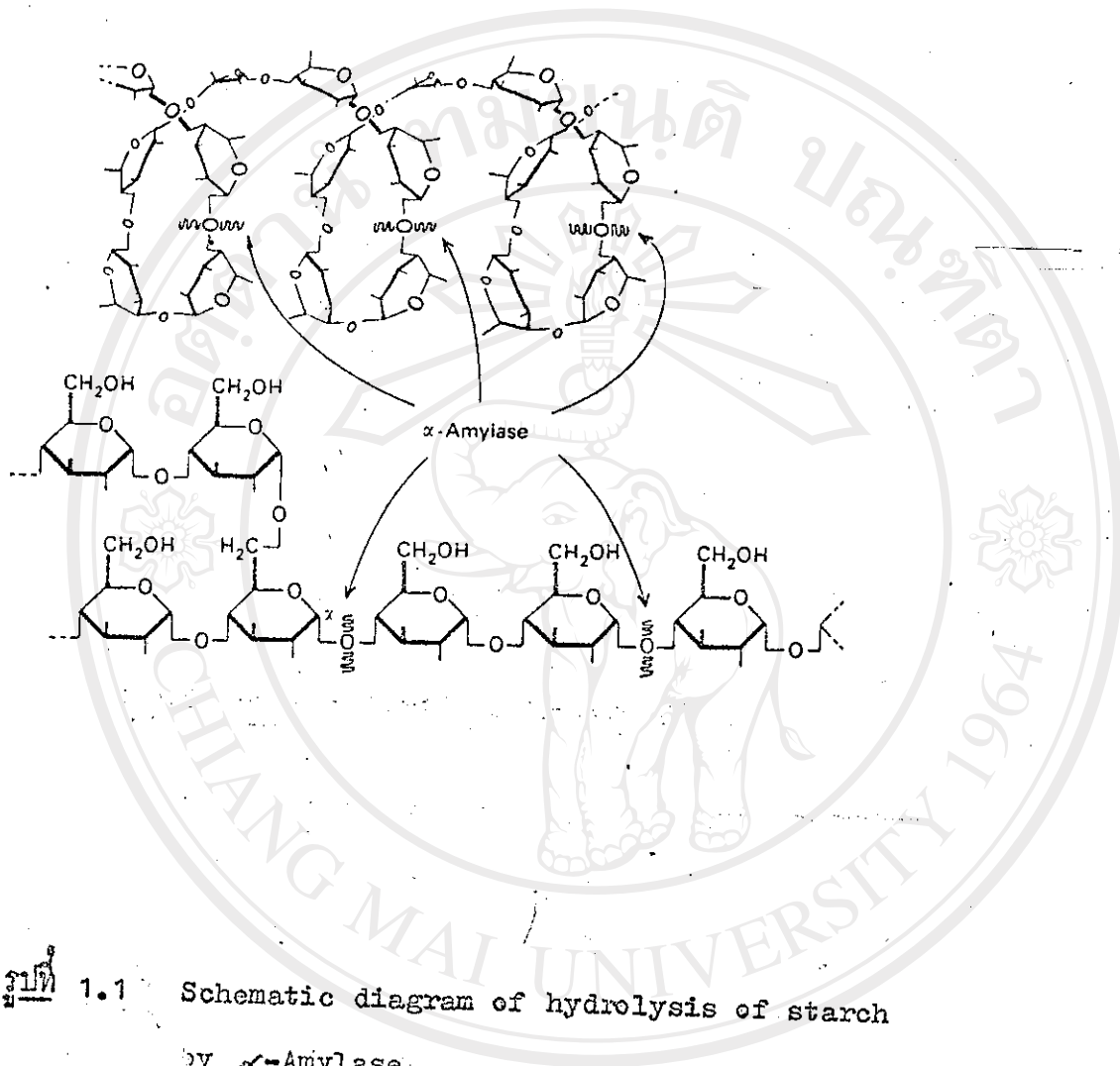
ส่วนที่ใช้ประโยชน์คือ ส่วนที่เป็นหัว มีประชาชนหลายล้านคนที่ยังคงรับประทานหัวเผือกเป็นอาหาร โดยเฉพาะในหมู่เกาะฮาวาย หัวเผือกมีลักษณะค่อนข้างกลม รอบ ๆ หัวเผือกมีวงหลาย ๆ วงแทนข้อของพืชใบเลี้ยงเดี่ยว ตอนบนของวงเหล่านี้เป็นที่เจริญเติบโตของตาซึ่งใช้สำหรับขยายพันธุ์ต่อไป ลักษณะขอบใบมีขนาดใหญ่มีสีเขียวเข้มและค่อนข้างกลม เมื่อโตเต็มที่เผือกสูงประมาณ 2-3 ฟุต หัวเผือกจะโตเต็มที่เมื่ออายุประมาณ 6-8 เดือน

หัวเผือกมีแป้งอยู่สูง มีคุณค่าทางโภชนาการสูงกว่ามันฝรั่ง (7) คือประกอบด้วยโปรตีน แคลเซียม และฟอสฟอรัสสูงกว่า มีวิตามินเอและบีหนึ่งอยู่บ้าง แต่มีวิตามินซีอยู่น้อยมาก นอกจากนี้ยังประกอบด้วยผลึกของแคลเซียมออกซาเลท ซึ่งเป็นสารที่ทำให้หัวเผือกมีรสขมเมื่อรับประทานดิบ ๆ อย่างไรก็ตาม รสขมจะหายไปเมื่อนำไปต้ม บิ๊ง หรือดองด้วยโซเดียมไบคาร์บอเนต

1.2 α -Amylase [(1 \rightarrow 4)- α -D-glycan glucanohydrolase, EC 3.2.1.1]

เป็นเอนไซม์ที่พบในน้ำลายและตับอ่อนของมนุษย์ในน้ำลาย
เรียกว่า Salivary amylase (Ptyalin) จากตับอ่อนเรียกว่า Pancreatic
amylase (Amylopsin)

α -Amylase ทำหน้าที่เร่งปฏิกิริยาการสลาย Polysac-
charide (8) เช่น แป้งจากส่วนในของโมเลกุลตรงตำแหน่ง α -1,4-linkage
(รูปที่ 1.1) จะได้ oligosaccharide ประกอบด้วยกลูโคส 6-7 หน่วย ซึ่ง
สามารถถูกไฮโดรไลสต่อไปเป็นมอลโตส



รูปที่ 1.1 Schematic diagram of hydrolysis of starch by α -Amylase.

ลิขสิทธิ์มหาวิทยาลัยเชียงใหม่
Copyright© by Chiang Mai University
All rights reserved

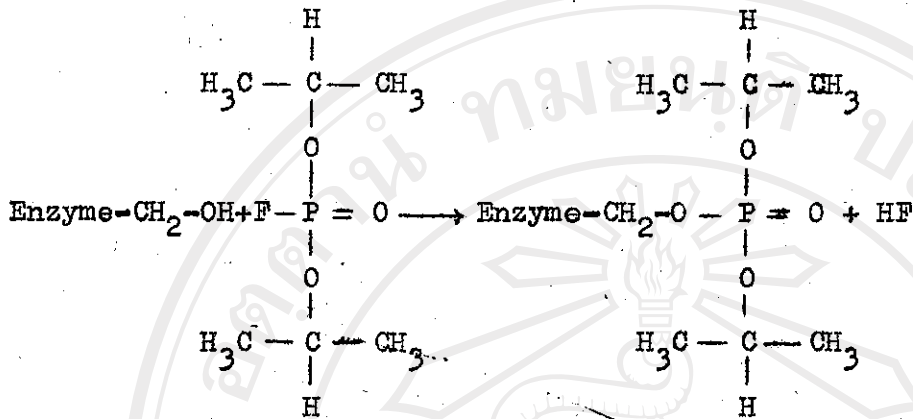
1.3 ตัวยับยั้งเอนไซม์ (Enzyme inhibitor) (9, 10)

ตัวยับยั้งการทำงานของเอนไซม์ หมายถึงสารที่ทำให้เอนไซม์ทำงานช้าลงหรือหยุดการทำงาน การยับยั้งการทำงานของเอนไซม์โดยโมเลกุลเล็กและชีวอนมีความสำคัญเพราะว่าเป็นกลไกควบคุมสำคัญในระบบต่าง ๆ ของสิ่งมีชีวิต ยาวและสารพิษหลายชนิดทำหน้าที่ยับยั้งเอนไซม์ด้วย ตัวยับยั้งแบ่งออกเป็น 2 ประเภทคือ

ก. ตัวยับยั้งแบบไม่ทวนกลับ (Irreversible inhibitor)

ตัวยับยั้งสามารถจับกับเอนไซม์ด้วยพันธะโควาเลนต์ หรือจับอย่างแน่นมากทำให้แยกออกจากเอนไซม์ได้ยาก ตัวยับยั้งประเภทนี้เช่น Diisopropylphosphofluoridate (DIPF) ซึ่งเป็นสารพิษที่มีผลต่อประสาท (nerve gas) โดยไปยับยั้งการทำงานของเอนไซม์ acetylcholinesterase ซึ่งมีบทบาทสำคัญในการทำงานของระบบประสาท สารนี้ทำปฏิกิริยากับ serine residue ที่ active site ของเอนไซม์เกิดเป็น inactive diisopropylphosphoryl enzyme (รูปที่ 1.2)

นอกจากนี้ alkylation reagent เช่น iodoacetate ยับยั้งการทำงานของเอนไซม์ โดยทำปฏิกิริยากับ cysteine residue บนโมเลกุลของเอนไซม์ (รูปที่ 1.3)



รูปที่ 1.2 แสดง DFP ทำปฏิกิริยากับ -OH ของ serine ของเอนไซม์



รูปที่ 1.3 แสดง iodoacetamide ทำปฏิกิริยากับ -SH ของ cysteine ของเอนไซม์

ข. ตัวยับยั้งแบบทวนกลับ (Reversible-inhibitor) แบ่งออกเป็น 2 ชนิดคือ

1. ตัวยับยั้งแบบแข่งขัน (Competitive inhibitor) ตัวยับยั้งมีลักษณะคล้ายคลึงกับสับสเตรท จึงมีการแข่งขันกันจับกับเอนไซม์ได้อีก ถ้ามีตัวยับยั้งมากปฏิกิริยาค่าเนินไปช้า เนื่องจากสับสเตรทไม่สามารถจับกับเอนไซม์ได้ แต่ถ้ามีสับสเตรทมาก ตัวยับยั้งไม่สามารถทำให้ปฏิกิริยาช้าลงหรือหยุดได้ สามารถเขียนสมการแสดงปฏิกิริยาที่เกิดขึ้นได้ดังนี้



อัตราความเร็วของปฏิกิริยาเมื่อมีตัวยับยั้ง (I) มีค่าดังนี้

$$v = \frac{V_{\max} [S]}{K_m \left[1 + \frac{[I]}{K_i} \right] + [S]} \quad \text{--- 3}$$

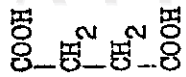
จากสมการ (3) จะเห็นว่าในปฏิกิริยาเอนไซม์ที่มี I อยู่ด้วย V_{\max} ไม่เปลี่ยนแปลง แต่ K_m ที่วัดหรือที่ปรากฏคือ $K_m(\text{app.})$ จะมากขึ้นเมื่อความเข้มข้นของ I สูงขึ้น (รูปที่ 1.5 ก.)

ลิขสิทธิ์มหาวิทยาลัยเชียงใหม่

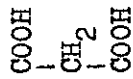
Copyright© by Chiang Mai University

All rights reserved

ตัวอย่างตัวยับยั้งแบคทีเรีย (11) ไคแทก (รูปที่ 1.4)



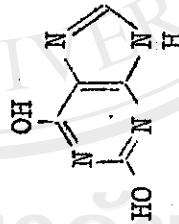
Succinic acid



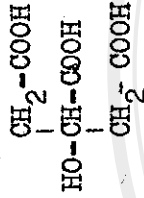
Malonic acid
(inhibitor)



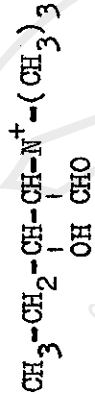
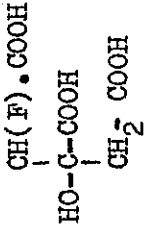
Acetylcholine



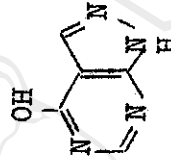
Xanthine



Citric acid Fluorocitric acid
(inhibitor)



Muscarine
(inhibitor)



4-Hydroxypyrazolopyrimidine
(HPP ; inhibitor)

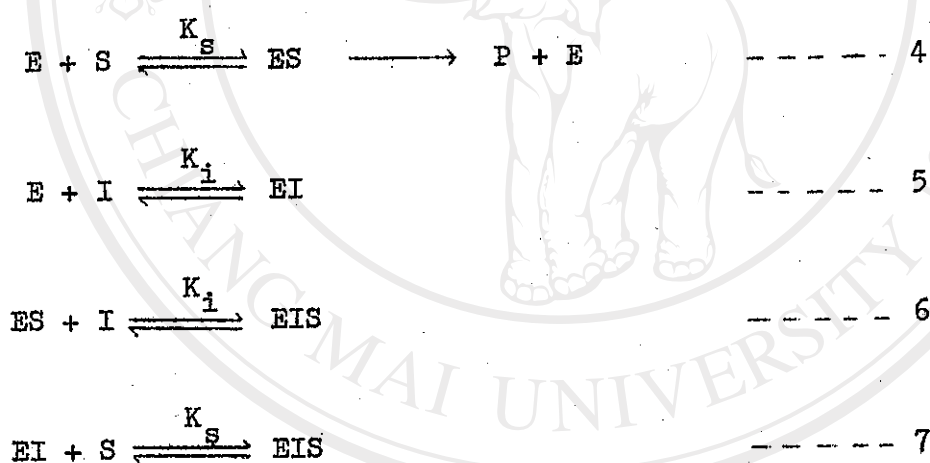
รูปที่ 1.4 แสดงตัวอย่างแบคทีเรียของสารต่าง ๆ

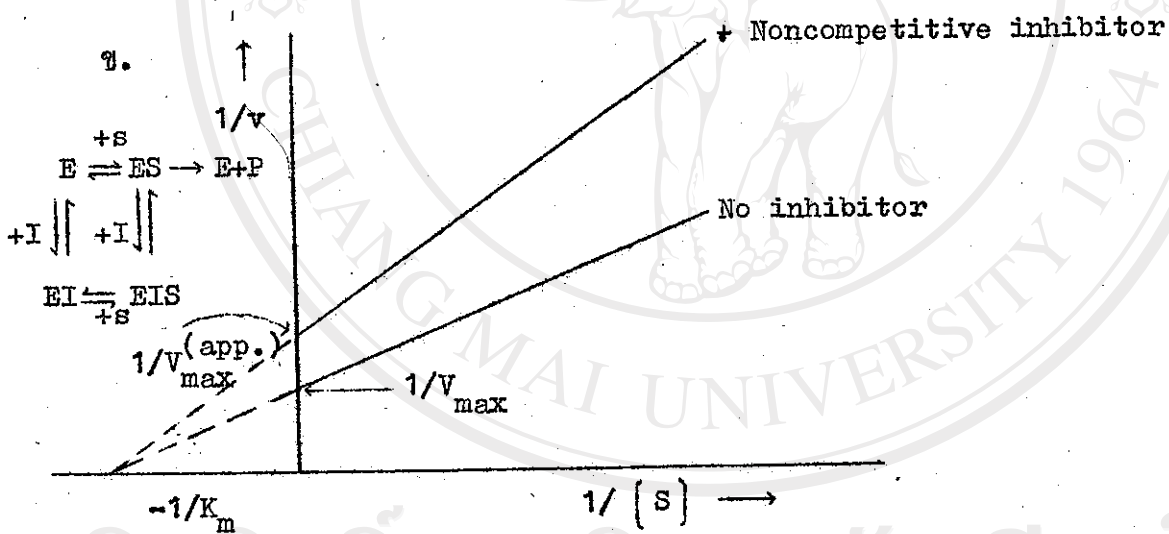
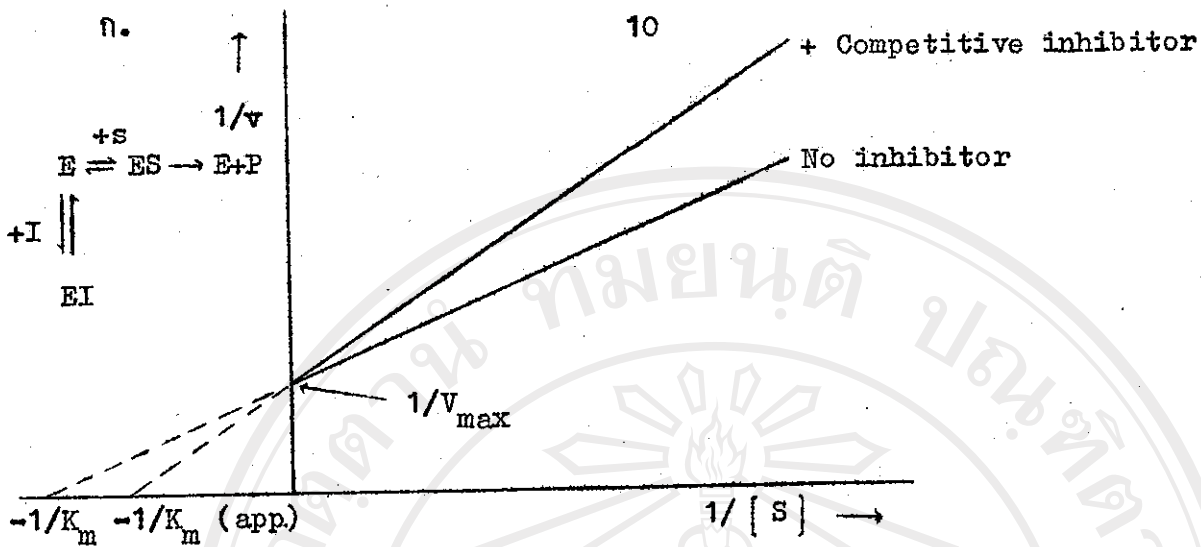
2. ตัวยับยั้งแบบไม่แข่งขัน (Noncompetitive inhibitor)

ตัวยับยั้งสามารถจับกับเอนไซม์ในลักษณะทวนกลับได้ถึงแม้จะมีซับสเตรตจับอยู่ทำให้เกิดมีทั้ง EI และ EIS complex ซึ่งไม่สามารถทำปฏิกิริยาได้ เนื่องจากตัวยับยั้งประเภทนี้ไม่ได้จับที่บริเวณเร่งของเอนไซม์

ตัวยับยั้งชนิดนี้ทำหน้าที่ไปลดค่า Turnover number ของเอนไซม์มากกว่าที่จะลดสัดส่วนของเอนไซม์ที่จับกับซับสเตรต

สมการแสดงปฏิกิริยาต่าง ๆ ดังนี้





รูปที่ 1.5 แสดง Lineweaver-Burk plot ของปฏิกิริยาโดยเอนไซม์เมื่อไม่มีตัวยับยั้งเทียบกับเมื่อมีตัวยับยั้ง

- ก. Competitive inhibitor
- ข. Noncompetitive inhibitor

อัตราการเร็วของปฏิกิริยาเมื่อมี I อยู่ด้วยมีค่าดังนี้

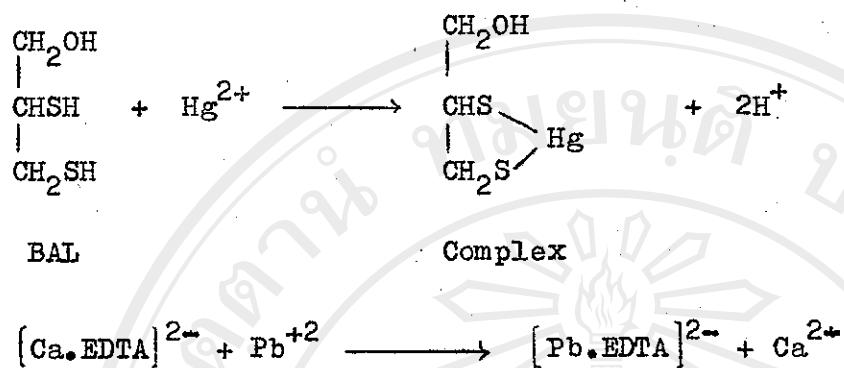
$$v = \frac{v_{\max} [S]}{K_m + [S] \left(1 + \frac{[I]}{K_i} \right)} \quad \text{----- 8}$$

ดังนั้น ในการยับยั้งแบบไม่แข่งขัน ค่า K_m คงเดิม แต่ v_{\max} ที่ปรากฏจะมีค่าลดลง (รูปที่ 1.5 ข.)

$$v_{\max}(\text{app.}) = v_{\max} / \left(1 + \frac{[I]}{K_i} \right) \quad \text{----- 9}$$

ตัวอย่างตัวยับยั้งแบบไม่แข่งขัน⁽¹²⁾ ได้แก่พวกโลหะหนัก เช่น ปรอท ตะกั่ว แคดเมียม โครเมียม และเทลลูเรียม ซึ่งจะทำปฏิกิริยากับ -SH ของ cysteine บนเอ็นไซม์หลายชนิด โลหะหนักจะยับยั้งเอ็นไซม์เหล่านี้อย่างแน่นหนาทำให้เอ็นไซม์ไม่สามารถทำงานต่อไปได้เช่น ปรอท จะยับยั้งเอ็นไซม์ Urease

อย่างไรก็ตามสามารถแก้โลหะหนักที่เป็นพิษเหล่านี้เช่น ปรอทและตะกั่ว โดยเติมสารที่สามารถเกิด complex ได้กับโลหะทั้งสองโดยใช้ chelating agent เช่น Dimercaprol (BAL) และ EDTA (รูปที่ 1.6)



รูปที่ 1.6 แสดงการเกิดปฏิกิริยาระหว่างโลหะหนัก (Hg^{2+} , Pb^{+2}) กับ chelating agent

เพื่อที่จะดูว่าการทำปฏิกิริยาของตัวยับยั้งและเอ็นไซม์เป็นแบบ reversible หรือ irreversible สามารถทำได้โดยทดสอบทางจลนศาสตร์แบบง่าย ๆ คือ

1. โดยการเปลี่ยนความเข้มข้นของตัวยับยั้ง และให้ความเข้มข้นของเอ็นไซม์คงที่ และนำผลที่ได้มา plot 2 วิธี

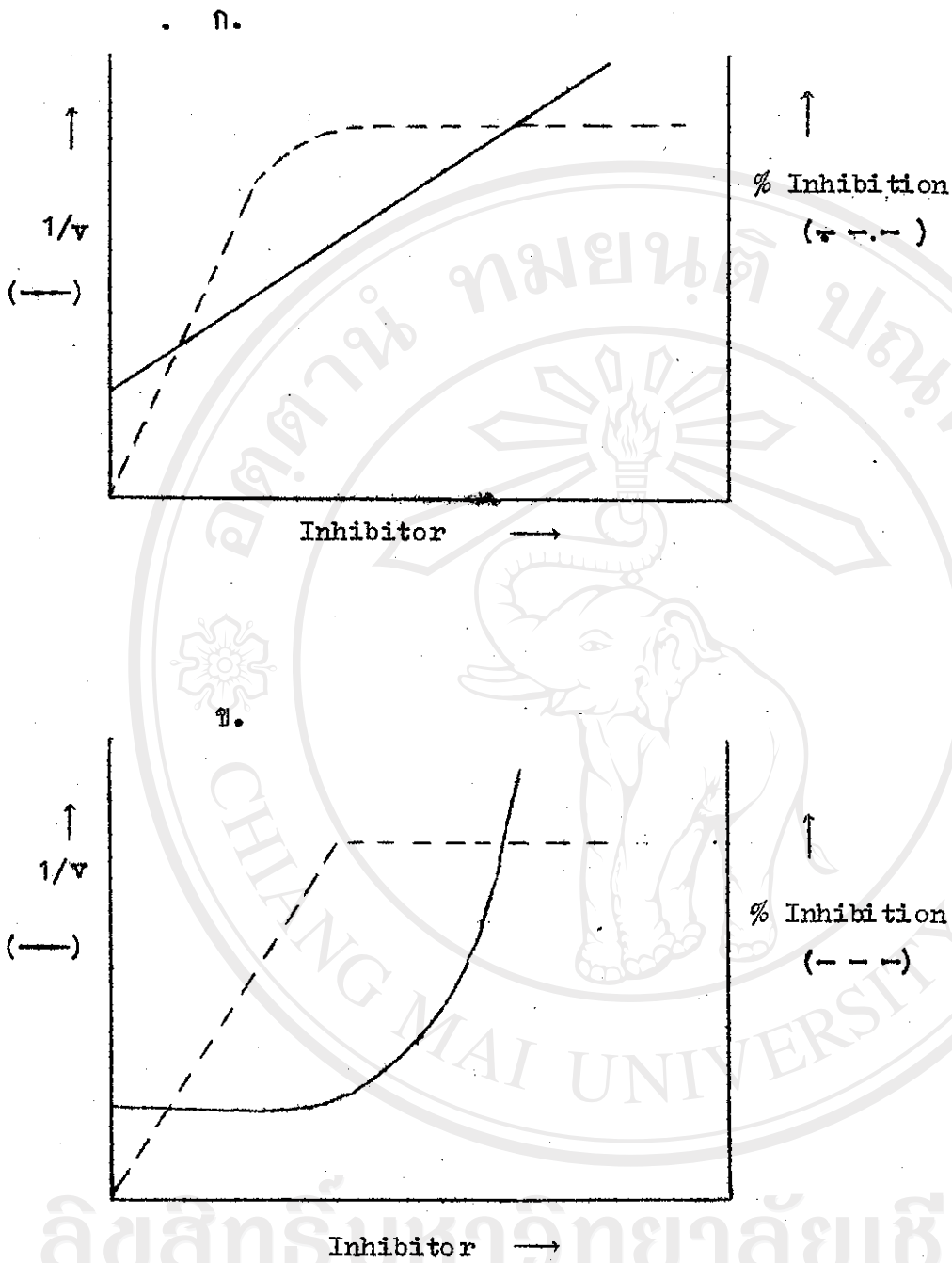
1.1 plot ระหว่างความเข้มข้นของตัวยับยั้งกับ เศษส่วนของความเร็วของปฏิกิริยา

1.2 plot ระหว่างความเข้มข้นของตัวยับยั้งกับ percentage of inhibition

ถ้า Enzyme-inhibitor complex เป็น reversible การ plot ในข้อ 1.1 จะให้เส้นตรง และในข้อ 1.2 จะให้ curve ดังแสดงในรูป 1.7 ก. ในทางกลับกันถ้า Enzyme-inhibitor complex เป็น irreversible การ plot โดยวิธีแรกจะให้ curve และในวิธีที่สองจะให้เส้นตรงดังในรูป 1.7 ข.

2. โดยการเปลี่ยนความเข้มข้นของเอ็นไซม์และให้ความเข้มข้นของตัวยับยั้งคงที่ และนำผลที่ได้มา plot ระหว่าง percentage of inhibition กับความเข้มข้นของเอ็นไซม์ ถ้า Enzyme-inhibitor complex เป็น irreversible. Percentage of inhibition จะมีค่าเท่ากันคือ ไม่ขึ้นกับความเข้มข้นของเอ็นไซม์จนกว่า E มากกว่า I (20) ดังรูปที่ 1.8 ก.

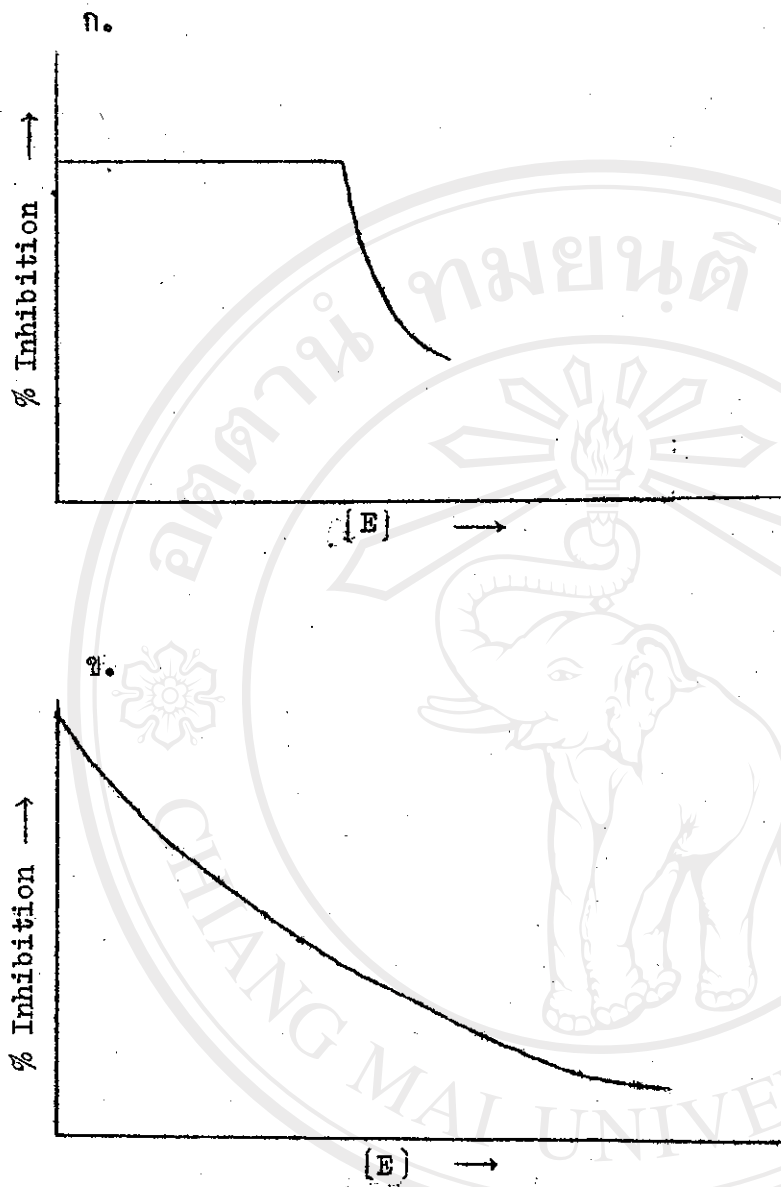
ในทางตรงข้ามถ้า Enzyme-inhibitor complex เป็น reversible. Percentage of inhibition จะลดลงเมื่อเพิ่มความเข้มข้นของเอ็นไซม์ (รูปที่ 1.8 ข.)



รูปที่ 1.7 แสดง Plots ของ $1/v$ และ % inhibition กับความเข้มข้นของ inhibitor

ก. Reversible interaction

ข. Irreversible interaction



รูปที่ 1.8 แสดง Plot ของ percentage of inhibition กับความเข้มข้นของเอ็นไซม์

ก. Irreversible mechanism

ข. Reversible mechanism

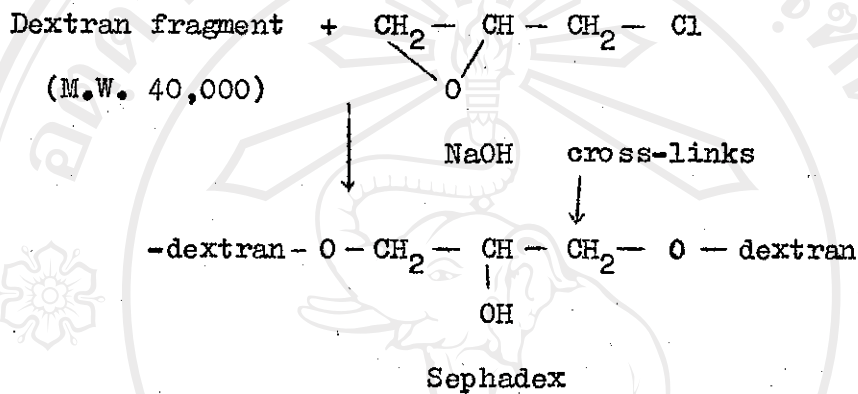
1.4 เทคนิคที่ใช้ในการทำการทดลอง

1.4.1 Gel Chromatography (Gel filtration) (13, 14, 15)

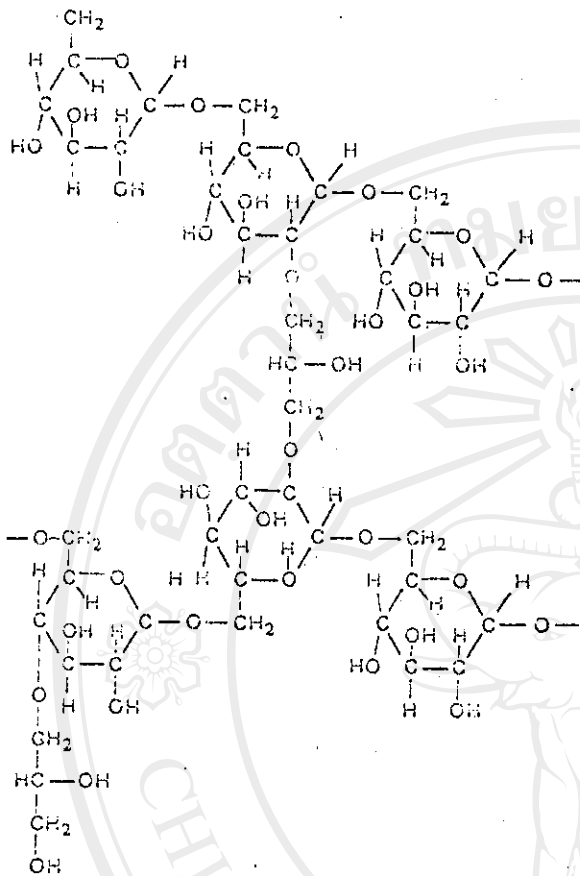
เป็นเทคนิคที่ใช้ในการแยก heterogenous mixture ของโมเลกุลโดยอาศัยความแตกต่างของขนาดโมเลกุล เจลส่วนใหญ่ที่ใช้สำหรับแยกนี้เตรียมจากโพลีเมอร์ของ cross-linking dextran ดังนั้น polysaccharide chain พัวพันเกิดขึ้นเป็น three-dimensional network ภายในเจล เมื่อแช่เจลในสารละลาย เจลจะดูดตัวทำละลายไว้จำนวนหนึ่งซึ่งเป็นสัดส่วนกับขนาดของ Cross-linkage ซึ่งเป็นรูปที่มีขนาดต่าง ๆ ภายในเจล โมเลกุลถูกแยกตามขนาด เพราะโมเลกุลที่มีขนาดใหญ่มีขนาดใหญ่กว่ารูที่ใหญ่ที่สุดของเจล ไม่สามารถผ่านทะลุเนื้อเจลได้ ดังนั้นโมเลกุลจึงผ่านในช่องเลวระหว่างเม็ดเจลและออกมาที่ตัวทำละลายที่ใช้ไล้ (elute) ออกมาทาง column ก่อน ส่วนโมเลกุลที่มีขนาดปานกลางหรือเล็กสามารถผ่านทะลุเข้าไปในอนุภาคของเจลได้ โมเลกุลที่มีขนาดเล็กที่สุดหรืออ่อนในสารผสมสามารถเข้าไปอยู่ในทุกส่วนของรูภายในเจล ฉะนั้นโมเลกุลเล็กและอ่อนจะถูกไล้ออกมาจาก column หลังสุด Gel filtration ที่นิยมใช้กันอย่างกว้างขวางและได้ผลก็คือ Sephadex

Sephadex คือเจลพวก dextran สังเคราะห์จากส่วนของ dextran ที่เกิด cross-linking กับ epichlorohydrin (รูปที่ 1.9) dextran เป็นโพลีเมอร์ของ D-glucopyranose unit ต่อกันโดย α -(1,6)-glucosidic linkage และบางครั้งก็เป็น α -(1,3) และ α -(1,4)-linkage

Cross-linked product ที่เกิดจากปฏิกิริยาของ
 dextran กับ epichlorohydrin ประกอบด้วย 1,3-glyceryl ether
 bridge และ glyceryl side chain (รูปที่ 1.10)



รูปที่ 1.9 แสดงการสังเคราะห์ Sephadex จากปฏิกิริยาของ dextran
 กับ epichlorohydrin



รูปที่ 1.10 Structural formula showing the essential features of a dextran cross-linked with epichlorohydrin.

ลิขสิทธิ์มหาวิทยาลัยเชียงใหม่
 Copyright © by Chiang Mai University
 All rights reserved

1.4.2 Ion-exchange chromatography (16)

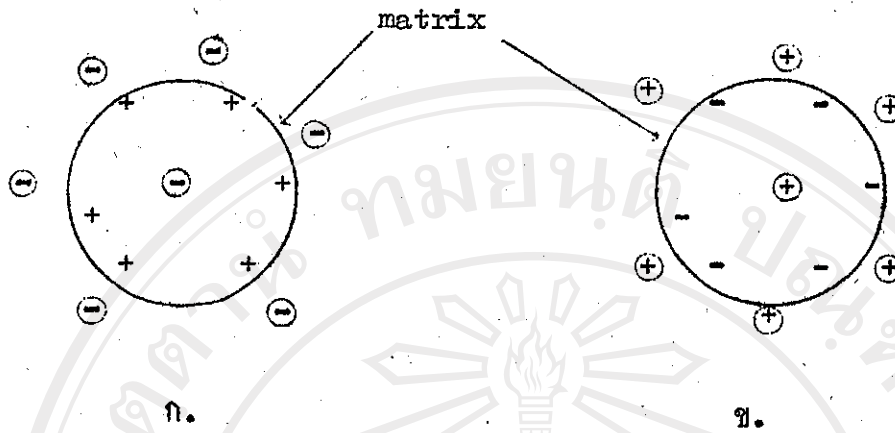
Ion exchange เป็นสารที่ไม่ละลายน้ำ ประกอบด้วย 2

ส่วนคือ

1. charged group
2. mobile counter-ions

mobile counter-ions สามารถแลกเปลี่ยนกลับไป
กลับมากับไอออนอื่นที่มีประจุเหมือนกันได้ โดยไม่ทำให้คุณสมบัติในการไม่ละลายน้ำ
ของ matrix เสียไป ion-exchange แบ่งออกเป็น 2 ชนิดคือ

1. Anion exchanger : matrix เป็นหมู่ที่มีประจุบวก (Positive group) counter-ion เป็นลบ (negative) (รูปที่ 1.11 ก.)
anion exchanger สามารถแลกเปลี่ยนกับไอออนลบ (negative ion) อื่นได้
2. Cation exchanger : matrix เป็นหมู่ที่มีประจุลบ (negative group) counter-ion เป็นบวก (positive) (รูปที่ 1.11 ข.)
ในทำนองเดียวกัน cation exchanger สามารถแลกเปลี่ยนกับไอออนบวก (Positive ion) อื่นได้



รูปที่ 1.11 แสดงลักษณะของ ion exchanger

ก. Anion exchanger

ข. Cation exchanger

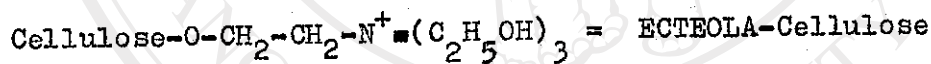
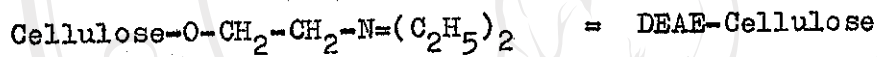
matrix นี้อาจเป็น Aluminium silicate, Synthetic resin, polysaccharide และอื่น ๆ คุณสมบัติที่สำคัญประการหนึ่งของ ion exchanger คือ charged group เพราะชนิดของ charged group เป็นตัวกำหนดชนิดและ strength ของ ion exchanger

phenolic, hydroxyl, carboxyl และ Sulphoric group เป็น matrix สำหรับ cation exchanger ที่ใช้กันมาก และนิยมใช้ Aliphatic หรือ Aromatic-amino group เป็น matrix สำหรับ anion exchanger

cellulose ion exchanger (14, 17) เป็น ion exchanger ที่ได้จากการ esterify ionic group เข้าไปใน cellulose (รูปที่ 1.10) นิยมใช้กันมากและใช้ได้ดีในการแยกสารมีน้ำหนักโมเลกุลสูง ที่มีประจุอยู่มากเช่น โปรตีน

cellulose ion exchanger มีไ้กั้หลายชนิด แต่ที่
ไ้กั้กว้างขวางมากที่สุดคือ

1. DEAE-(Diethylaminoethyl)-cellulose เป็น anion exchanger ไ้สำหรับแยก neutral และ acidic protein
2. CM-(Carboxymethyl)-cellulose เป็น Cation exchanger ไ้สำหรับแยก neutral และ basic protein
3. ECTEOLA-(Epichlorohydrin triethanolamine)-Cellulose ไ้แยก nucleotides, nucleic acid และ virus



รูปที่ 1.12 แสดงสูตรของ cellulose ion exchanger บางตัว