

บทที่ 3

ผลการวิจัย

จากการตรวจวิเคราะห์ความผิดปกติของโครโมโซมในตัวอย่างจากอาสาสมัครจำนวน 11 ราย อายุระหว่าง 22-39 ปี มีจำนวนตัวอย่างอยู่ระหว่าง 46-210 ล้านตัวต่อมิลลิลิตร ด้วยการใช้ดีเอ็นเอตรวจสอบสำหรับโครโมโซม 13, 18, 21, X และ Y โดยวิธี Fluorescence in situ hybridization (FISH) การใช้ดีเอ็นเอตรวจสอบแต่ละชนิดจะใช้กับตัวอย่างจากอาสาสมัคร 5 ราย ในระยะแรกของการทดลองประสบปัญหาต่างๆ เช่น ตัวอย่างมีการขยายตัวมากเกินไป เพราะความชื้นใน moist chamber มากเกินไป หรือบางครั้งตัวอย่างมีขนาดเล็กเกินไป เพราะความชื้นใน moist chamber น้อย การ smear ไม่ได้ทำให้ตัวอย่างเกาะกันเป็นกลุ่มแน่น ทำให้แยกขอบเขตของตัวอย่างแต่ละตัวลำบาก ไม่สามารถจะนับสัญญาณ (signal) ได้ถูกต้อง ส่วนที่บางทำให้ตัวอย่างห่างมากไปทำให้นับได้ตัวอย่างได้น้อย มีการหลุดของตัวอย่างมากเกินไปเนื่องจากความแรงในขั้นตอนการล้าง หรืออุณหภูมิสูงมากเกินไป

การทดลองบางครั้งไม่ได้ผลคือไม่เห็นสัญญาณ หรือเปอร์เซ็นต์ของสัญญาณมีน้อย และสัญญาณไม่ชัดเจนเนื่องจาก denature solution หรือสารละลาย dithiotreitol (DTT) หรือ lithium diodosalicylate (LIS) เสื่อมคุณภาพ ดังนั้นต่อมาจึงเตรียมใหม่ทุกครั้ง ต่อมาได้นำ Proteinase K มาย่อยผนังเซลล์ของตัวอย่างพร้อมด้วยพบว่าสัญญาณที่ได้ชัดเจนขึ้น แต่การใช้ Proteinase K ต้องระวังเวลาในการ incubate พบว่าถ้าเกิน 20 นาที จะมีการหลุดของตัวอย่าง ในบางครั้งการล้างหลังการไฮบริดซ์ถ้าอุณหภูมิของสารละลายสูงเกินไปทำให้สัญญาณหลุดออกนอกนิวเคลียสของตัวอย่าง ในการทดลองพบว่าดีเอ็นเอตรวจสอบตามแบบ CEP (CEP 18, X และ Y) ใช้อุณหภูมิในขั้นตอนการล้างด้วย 0.4 X SSC ใน 0.3% NP-40 ใช้อุณหภูมิ 73 องศาเซลเซียส แต่ดีเอ็นเอตรวจสอบตามแบบ LSI (LSI 13 และ 21) ถ้าใช้อุณหภูมิ 73 องศาเซลเซียส สัญญาณจะหลุดออกนอกนิวเคลียสของตัวอย่าง เมื่อลดอุณหภูมิมาที่ 70 องศาเซลเซียส พบว่าสัญญาณไม่หลุดจากนิวเคลียส สำหรับดีเอ็นเอตรวจสอบตามโครโมโซม X และโครโมโซม Y ในอาสาสมัครรายที่หนึ่งและรายที่สองนั้น ไม่ได้อยู่ในชุดเดียวกัน ต้องนำมาผสมกันในขั้นตอนการเตรียมดีเอ็นเอตรวจสอบ โดยเป็นชนิด CEP X (spectrum orange) และ CEP Y (spectrum green) ผลการทดลองให้ผลบวก (positive signal) 94.33% ตัวอย่างสัญญาณบวกของโครโมโซม X และ Y แสดงไว้ในรูปที่ 20-23 และสำหรับดีเอ็นเอตรวจสอบตามโครโมโซม X และ Y ในอาสาสมัครรายที่สาม รายที่สี่และรายที่ห้าเป็นแบบ

Aneuscreen ผลสมกันของโครโมโซม X โครโมโซม Y และ โครโมโซม 18 CEP X (spectrum green) CEP Y (spectrum orange) CEP 18 (spectrum aqua) ให้ผลบวก 93.01%

ดีเอ็นเอตรวจตามของโครโมโซม 13 และ 21 เป็นแบบ Aneuscreen LSI 13 (spectrum green) LSI 21 (spectrum orange) ให้ positive signals 93.83% และ 92.97% ดังตัวอย่างในรูปที่ 14-18 สำหรับโครโมโซม 18 ซึ่งให้ aneuscreen CEP 18, X, Y ให้ผลบวก (positive signal) 98.31% ดังตัวอย่างในรูปที่ 19 จำนวนอสุจิที่ได้ตรวจวิเคราะห์สำหรับดีเอ็นเอตรวจสอบแต่ละชนิดมีดังนี้ โครโมโซม 13 จำนวน 30,077 ตัว โครโมโซม 18 จำนวน 32,935 ตัว โครโมโซม 21 จำนวน 30,077 ตัว และโครโมโซม XY จำนวน 31,486 ตัว สัญญาณของโครโมโซม 18 จะชัดเจนมากที่สุด ในการนับสัญญาณเป็นสองตำแหน่งนั้น จะถือเอาระยะห่างระหว่างตำแหน่งสัญญาณทั้งสองนั้นต้องห่างกันประมาณครึ่งหนึ่งหรือมากกว่าเส้นผ่านศูนย์กลางของสัญญาณที่อยู่ติดกัน ในการวิจัยนี้มีวัตถุประสงค์เพื่อศึกษาความถี่ของความผิดปกติของโครโมโซม 13, 18, 21, X และ Y และเปรียบเทียบความถี่ของความผิดปกติของโครโมโซมเหล่านี้ และศึกษาสัดส่วนระหว่างอสุจิที่นำโครโมโซม X และอสุจิที่นำโครโมโซม Y ในกลุ่มอสุจิ Control, Swim up และ Neat semen โดยใช้ Student's T-test ที่ระดับความเชื่อมั่น 95% หรือ $P < .05$ และพิจารณาให้มีความแตกต่างมีนัยสำคัญทางสถิติ

การเปรียบเทียบความผิดปกติของโครโมโซม 13, 18, 21 (จากตารางที่ 2-4) ชนิด disomy, diploidy และความผิดปกติทั้งหมด (total) ระหว่างกลุ่มอสุจิ Control : Swim up Control : Neat และ Swim up : Neat ไม่มีความแตกต่าง

สำหรับความผิดปกติของโครโมโซมเพศ (จากตารางที่ 5) ชนิด XY, XX, YY ระหว่างกลุ่มอสุจิ Control : Swim up Control : Neat และ Swim up : Neat ก็ไม่พบความแตกต่างเช่นเดียวกัน สำหรับอาสาสมัครรายที่ 3, 4 และ 5 ใช้ดีเอ็นเอตรวจสอบ CEP 18 / CEP X / CEP Y พบ disomy XY, XX และ YY เท่ากับ 0.07%, 0.01% และ 0.00% ตามลำดับ diploidy ที่มีโครโมโซม XY, XX และ YY เท่ากับ 0.04%, 0.00% และ 0.01% ตามลำดับ เมื่อเปรียบเทียบสัดส่วนของอสุจิที่นำโครโมโซม X และอสุจิที่นำโครโมโซม Y (จากตารางที่ 6) ของกลุ่มอสุจิ control และ swim up ไม่พบความแตกต่าง แต่ในกลุ่ม neat พบว่ามีความแตกต่างอย่างมีนัยสำคัญที่ $P < .02$

ตารางที่ 2 แสดงเปอร์เซ็นต์ความผิดปกติของโครโมโซม 13 ของเซลล์ กลุ่ม control, swim up และ neat จากอาสาสมัคร 5 ราย

รายที่	control			swim up			neat		
	disomy	diploidy	total	disomy	diploidy	total	disomy	diploidy	total
3	0.049	0.049	0.098	0.066	0.000	0.066	0.097	0.048	0.145
8	0.099	0.099	0.198	0.000	0.097	0.097	0.000	0.000	0.000
9	0.148	0.099	0.247	0.147	0.000	0.147	0.000	0.098	0.098
10	0.049	0.146	0.195	0.266	0.177	0.443	0.048	0.191	0.239
11	0.000	0.280	0.280	0.044	0.265	0.309	0.096	0.144	0.240
total	0.345	0.673	1.018	0.523	0.539	1.062	0.241	0.481	0.722
เฉลี่ย	0.069	0.135	0.204	0.105	0.108	0.212	0.048	0.096	0.144

ตารางที่ 3 แสดงเปอร์เซ็นต์ความผิดปกติของโครโมโซม control, swim up และ neat จากอาสาสมัคร 5 ราย

รายที่	control			swim up			neat		
	disomy	diploidy	total	disomy	diploidy	total	disomy	diploidy	total
3	0.098	0.049	0.147	0.000	0.048	0.048	0.098	0.000	0.098
4	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
5	0.000	0.144	0.144	0.000	0.098	0.098	0.042	0.000	0.042
6	0.083	0.083	0.166	0.316	0.045	0.361	0.081	0.163	0.244
7	0.000	0.128	0.128	0.000	0.219	0.219	0.047	0.047	0.094
total	0.181	0.404	0.585	0.316	0.410	0.726	0.268	0.210	0.478
เฉลี่ย	0.036	0.081	0.117	0.063	0.082	0.145	0.054	0.042	0.096

ตารางที่ 4 แสดงเปอร์เซ็นต์ความผิดปกติของโครโมโซม 21 ของกลุ่มอสุจิ control, swim up และ neat จากอาสาสมัคร 5 ราย

รายที่	control				swim up				neat			
	disomy	diploidy	other	total	disomy	diploidy	other	total	disomy	diploidy	other	total
3	0.049	0.049	0.000	0.098	0.099	0.000	0.000	0.099	0.049	0.049	0.000	0.098
8	0.148	0.099	0.000	0.247	0.049	0.097	0.000	0.146	0.144	0.000	0.000	0.144
9	0.000	0.099	0.000	0.099	0.098	0.000	0.000	0.098	0.049	0.098	0.000	0.147
10	0.000	0.146	0.000	0.146	0.089	0.177	0.000	0.266	0.095	0.191	0.048*	0.334
11	0.093	0.281	0.000	0.374	0.044	0.265	0.044*	0.353	0.144	0.144	0.000	0.288
total	0.290	0.674	0.000	0.964	0.379	0.539	0.044	0.962	0.481	0.482	0.048	1.011
เฉลี่ย	0.058	0.135	0.000	0.193	0.076	0.108	0.009	0.192	0.096	0.096	0.010	0.202

* พบความผิดปกติของ trisomy 21

ตารางที่ 5 แสดงเปอร์เซ็นต์ความผิดปกติของโครโมโซมเพศของกลุ่ม control, swim up และ neat จากอาสาสมัคร 5 ราย

รายที่	control				swim up				neat			
	XY	XX	YY	total	XY	XX	YY	total	XY	XX	YY	total
1	0.047	0.000	0.000	0.047	0.046	0.000	0.000	0.046	0.147	0.000	0.098	0.245
2	0.331	0.095	0.095	0.521	0.288	0.000	0.048	0.336	0.098	0.049	0.000	0.147
3	0.196	0.000	0.000	0.196	0.144	0.000	0.048	0.192	0.098	0.049	0.000	0.147
4	0.047	0.000	0.000	0.047	0.049	0.000	0.000	0.049	0.000	0.000	0.000	0.000
5	0.249	0.000	0.000	0.249	0.197	0.000	0.000	0.197	0.042	0.000	0.000	0.042
total	0.870	0.095	0.095	1.060	0.724	0.000	0.096	0.820	0.385	0.098	0.098	0.581
เฉลี่ย	0.174	0.019	0.019	0.212	0.145	0.000	0.019	0.164	0.077	0.020	0.020	0.116

ตารางที่ 6 แสดงเปอร์เซ็นต์ของตัวอสุจิน้ำโครโมโซม X และโครโมโซม Y ของอสุจิกลุ่ม control swim up และ neat จากอาสาสมัคร 5 ราย

รายที่	control		swim up		neat	
	X	Y	X	Y	X	Y
1	490251	46.629	45.932	49.744	47.957	44.756
2	463549	45.788	46.801	44.829	50.172	40.020
3	48.822	46.860	49.087	45.962	46.362	46.165
4	49.348	48.183	48.031	47.496	51.227	44.492
5	43.105	44.643	42.181	45.732	46.417	43.128
เฉลี่ย	47.415	46.422	46.406	46.753	48.427	43.712

ตารางที่ 7 แสดงความผิดปกติโดยเฉลี่ยของโครโมโซม 13, 18 และ 21 ทั้ง disomy, diploidy และ total ในอาสาสมัครแต่ละราย

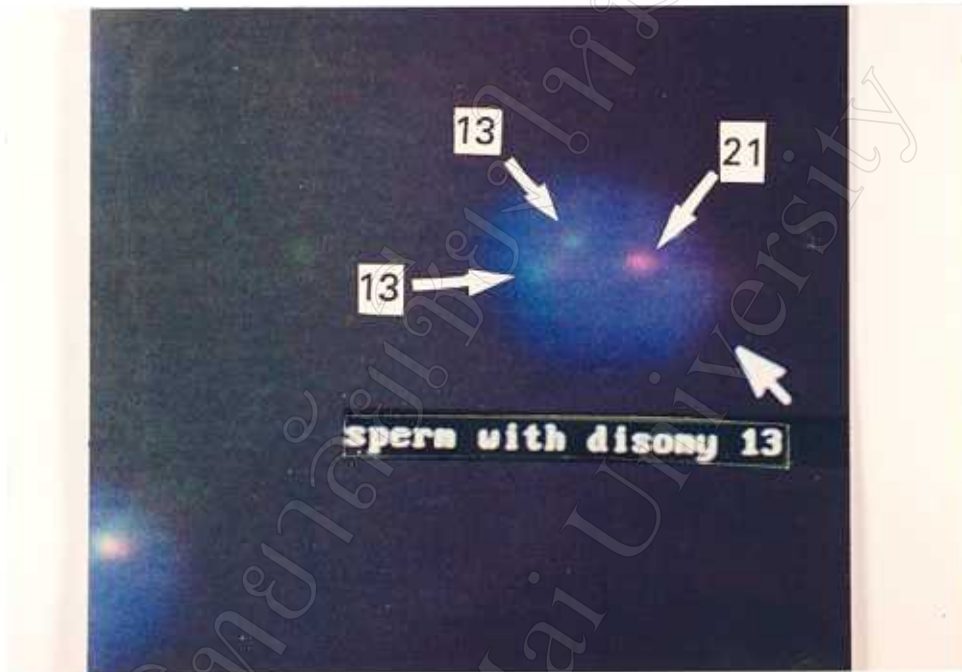
โครโมโซม	อาสาสมัครรายที่	disomy	diploidy	total
13	3	0.071	0.032	0.103
	8	0.033	0.065	0.098
	9	0.098	0.066	0.164
	10	0.121	0.171	0.292
	11	0.047	0.230	0.276
18	3	0.065	0.032	0.098
	4	0.000	0.000	0.000
	5	0.014	0.081	0.095
	6	0.160	0.097	0.257
	7	0.016	0.131	0.147
21	3	0.066	0.033	0.098
	8	0.114	0.065	0.179
	9	0.049	0.066	0.115
	10	0.061	0.171	0.249
	11	0.094	0.230	0.338

ตารางที่ 8 แสดงความผิดปกติทั้งหมดโดยเฉลี่ยของโครโมโซมเพศในอาสาสมัครแต่ละราย

อาสาสมัครรายที่	XY	XX	YY	total
1	0.080	0.000	0.033	0.113
2	0.239	0.048	0.048	0.335
3	0.146	0.016	0.016	0.178
4	0.032	0.000	0.000	0.032
5	0.163	0.000	0.000	0.163



รูปที่ 14 แสดงนิวเคลียสของอสุจิที่ไฮบริไดรต์ด้วยดีเอ็นเอตรวจสอบ
 CEP13 (ฟลูออเรสเซนซ์สีเขียว) และ CEP21 (ฟลูออเรสเซนซ์สีแดง)
 นิวเคลียสที่ถูกครีให้สัญญาณสำหรับโครโมโซม 13 และ 21 ชนิดละ 1 จุด



รูปที่ 15 แสดงนิวเคลียสของอสุจิที่ไฮบริดด้วยดีเอ็นเอตรวจสอบ
 CEP13 (ฟลูออเรสเซนต์สีเขียว) และ CEP21 (ฟลูออเรสเซนต์สีแดง)
 นิวเคลียสที่ถูกครีให้สัญญาณสำหรับโครโมโซม 13 2 จุด และ
 สำหรับโครโมโซม 21 1 จุด



รูปที่ 16 แสดงนิวเคลียสของอสุจิไฮบริดด้วยดีเอ็นเอตรวจสอบ

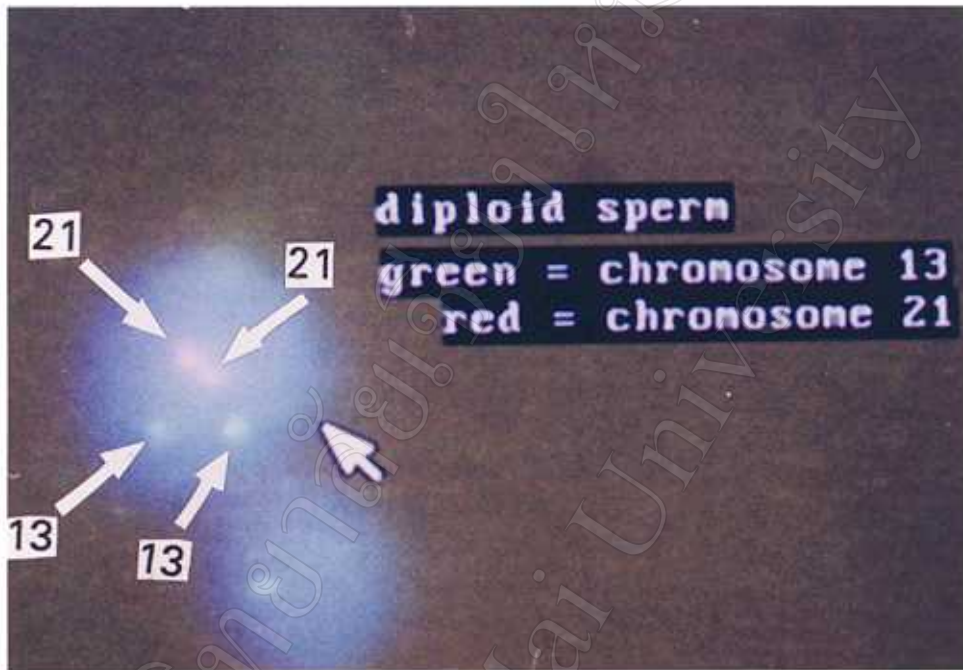
CEP13 (ฟลูออเรสเซนต์สีเขียว) และ CEP21 (ฟลูออเรสเซนต์สีแดง)

นิวเคลียสที่ลูกศรชี้ให้สัญญาณสำหรับโครโมโซม 21 2 จุด และ

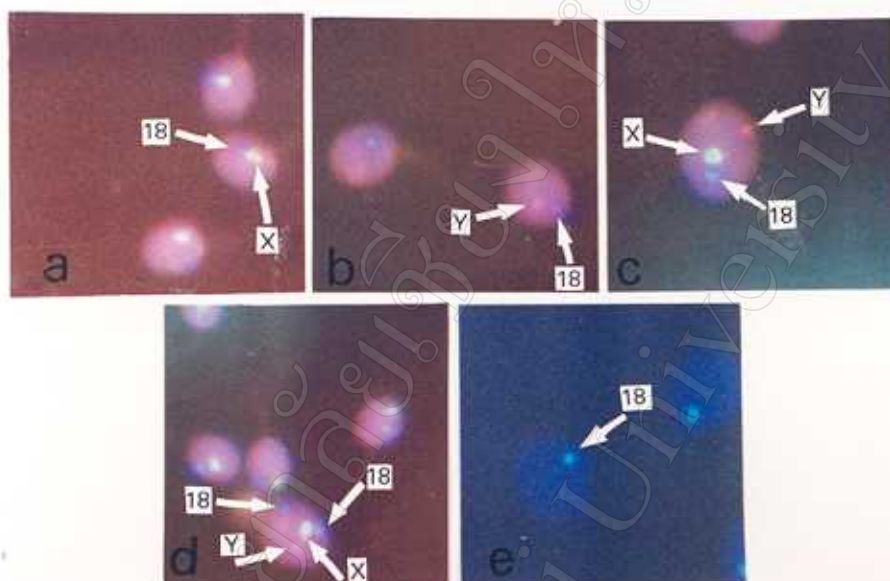
สำหรับโครโมโซม 13 1 จุด



รูปที่ 17 แสดงนิวเคลียสของอสุจิไฮบริดด้วยดีเอ็นเอตรวจหา
 CEP13 (ฟลูออเรสเซนต์สีเขียว) และ CEP21 (ฟลูออเรสเซนต์สีแดง)
 นิวเคลียสที่ถูกครีให้สัญญาณสำหรับโครโมโซม 21 3 จุด และ
 สำหรับโครโมโซม 13 1 จุด



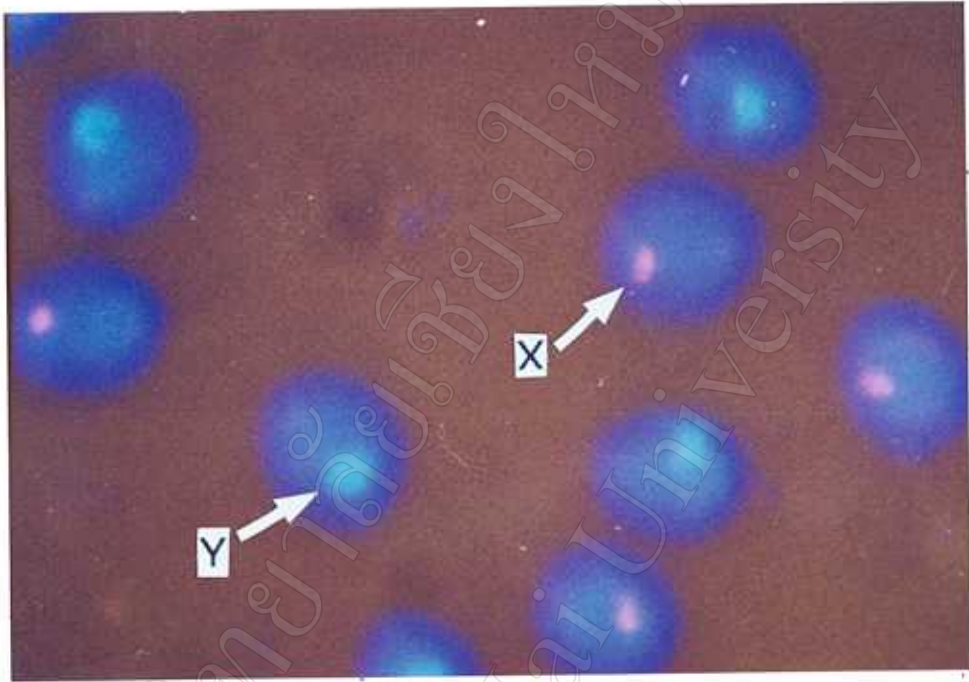
รูปที่ 18 แสดงนิวเคลียสของอสุจิไฮบริดด้วยดีเอ็นเอตรวจหา
 CEP13 (ฟลูออเรสเซนต์สีเขียว) และ CEP21 (ฟลูออเรสเซนต์สีแดง)
 นิวเคลียสที่ลูกศรชี้ให้สัญญาณสำหรับโครโมโซม 13 2 จุด และ
 สำหรับโครโมโซม 21 2 จุด



รูปที่ 19 แสดงนิวเคลียสของอสุจิไฮบริดด้วยดีเอ็นเอตราจสอบ

CEP18 (ฟลูออเรสเซนต์สีน้ำเงิน) และ CEPX (ฟลูออเรสเซนต์สีเขียว) และ
CEPY (ฟลูออเรสเซนต์สีแดง)

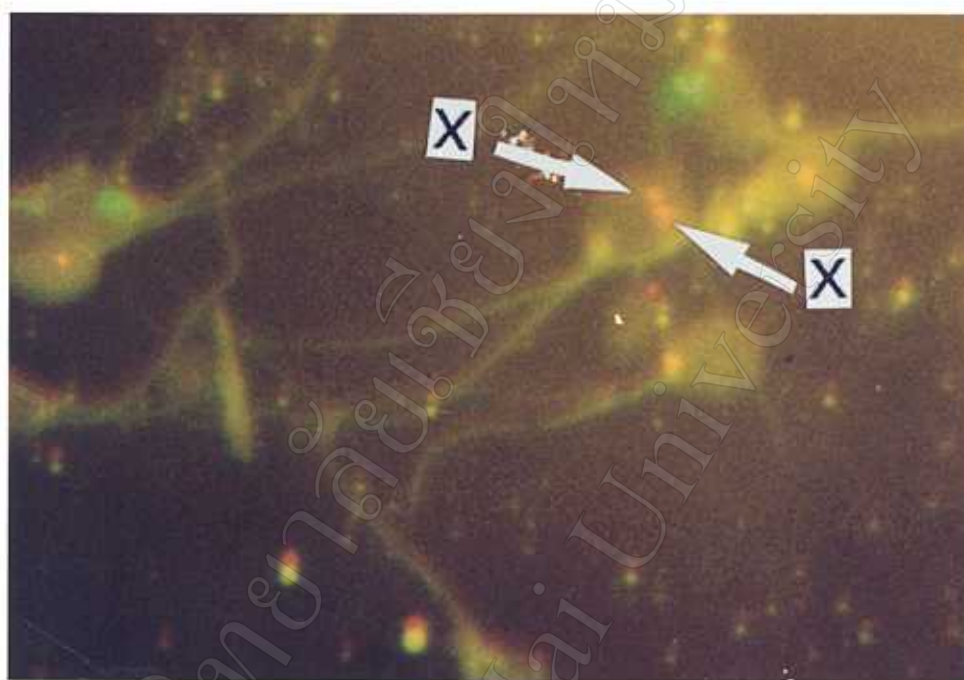
- อสุจิที่นำโครโมโซม X และโครโมโซม 18 1 ตัว
- อสุจิที่นำโครโมโซม Y และโครโมโซม 18 1 ตัว
- อสุจิที่นำทั้งโครโมโซม X และ Y (ลูกศรชี้)
- อสุจิที่เป็น diploidy นิวเคลียสให้สัญญาณสำหรับโครโมโซม X, Y และ
โครโมโซม 18 2 จุด (ลูกศรชี้)
- อสุจินำโครโมโซม 18 (ฟลูออเรสเซนต์สีฟ้า)



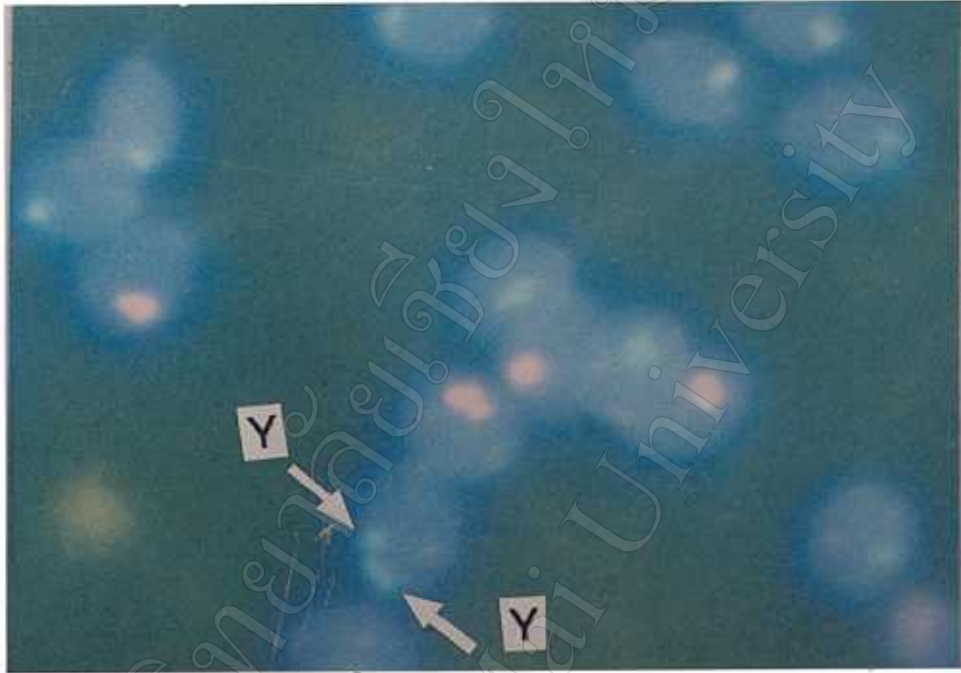
รูปที่ 20 แสดงนิวเคลียสของอสุจิที่ไฮบริดด้วยดีเอ็นเอตรวจลบ
 CEPX (ฟลูออเรสเซนต์สีแดง) และ CEPY (ฟลูออเรสเซนต์สีเขียว)
 อสุจิที่นำโครโมโซม X จะให้สัญญาณฟลูออเรสเซนต์สีแดง
 อสุจิที่นำโครโมโซม Y จะให้สัญญาณฟลูออเรสเซนต์สีเขียว



รูปที่ 21 แสดงนิวเคลียสของอสุจิที่ไฮบริดด้วยดีเอ็นเอตรวจสอบ
CEPX (ฟลูออเรสเซนต์สีแดง) และ CEPY (ฟลูออเรสเซนต์สีเขียว)
นิวเคลียสที่ลูกศรชี้แสดงอสุจินำโครโมโซม X และ Y



รูปที่ 22 แสดงนิวเคลียสของอสุจิ (ลูกศรชี้) ที่ไฮบริดด้วยดีเอ็นเอตรวจสอบ
 CEPX (ฟลูออเรสเซนส์สีแดง) และ CEPY (ฟลูออเรสเซนส์สีเขียว)
 ให้สัญญาณฟลูออเรสเซนส์สีแดง 2 จุด



รูปที่ 23 แสดงนิวเคลียสของอสุจิที่ไฮบริดด้วยดีเอ็นเอตรวจสอบ
 CEPX (ฟลูออเรสเซนต์สีแดง) และ CEPY (ฟลูออเรสเซนต์สีเขียว)
 ตรงลูกศรชี้แสดงอสุจิที่ให้สัญญาณฟลูออเรสเซนต์สีเขียวสำหรับ
 โครโมโซม Y 2 จุด