



ภาคผนวก

ลิขสิทธิ์มหาวิทยาลัยเชียงใหม่

Copyright © by Chiang Mai University

All rights reserved

ภาคผนวก ก

ข้อมูลสถิติ

Oneway

ANOVA

SP

	Sum of Squares	df	Mean Square	F	Sig.
Between Groups	14654.93	4	3663.733	1.895	.188
Within Groups	19330.00	10	1933.000		
Total	33984.93	14			

Post Hoc Tests

Multiple Comparisons

Dependent Variable: SP

LSD

(I) location	(J) location	Mean Difference (I-J)	Std. Error	Sig.	95% Confidence Interval	
					Lower Bound	Upper Bound
DI	EF	73.3333	35.89800	.068	-6.6524	153.3191
	RBA1	70.6667	35.89800	.077	-9.3191	150.6524
	RBA2	84.6667 *	35.89800	.040	4.6809	164.6524
	RBA3	80.0000	35.89800	.050	.0143	159.9857
EF	DI	-73.3333	35.89800	.068	-153.3191	6.6524
	RBA1	-2.6667	35.89800	.942	-82.6524	77.3191
	RBA2	11.3333	35.89800	.759	-68.6524	91.3191
	RBA3	6.6667	35.89800	.856	-73.3191	86.6524
RBA1	DI	-70.6667	35.89800	.077	-150.6524	9.3191
	EF	2.6667	35.89800	.942	-77.3191	82.6524
	RBA2	14.0000	35.89800	.705	-65.9857	93.9857
	RBA3	9.3333	35.89800	.800	-70.6524	89.3191
RBA2	DI	-84.6667 *	35.89800	.040	-164.6524	-4.6809
	EF	-11.3333	35.89800	.759	-91.3191	68.6524
	RBA1	-14.0000	35.89800	.705	-93.9857	65.9857
	RBA3	-4.6667	35.89800	.899	-84.6524	75.3191
RBA3	DI	-80.0000	35.89800	.050	-159.9857	-.0143
	EF	-6.6667	35.89800	.856	-86.6524	73.3191
	RBA1	-9.3333	35.89800	.800	-89.3191	70.6524
	RBA2	4.6667	35.89800	.899	-75.3191	84.6524

*. The mean difference is significant at the .05 level.

ภาคผนวก ข

ข้อมูลความสัมพันธ์เชิงเส้น

ANALYZE BY PROGRAMME MATLAB 7.0

function av_err = bio2(g,s,L,T)

N=length(g);

n=length(s);

l=length(L);

if N ~= n | l ~= 2

fprintf('invalid data,please try again, the number of genus must equal to nuber of species')

else

for i =1:n

err(i)=s(i)-(L(1).*g(i)+L(2));

end

end

for i = 1:74

x(i)=6+i;

a(i)=(x(i)-g(2)).*(x(i)-g(3)).*(x(i)-g(4)).*(x(i)-g(5)).*(x(i)-g(6)).*(x(i)-g(7)).*(x(i)-g(8)).*(x(i)-g(9)).*(x(i)-g(10));

a1(i)=(g(1)-g(2)).*(g(1)-g(3)).*(g(1)-g(4)).*(g(1)-g(5)).*(g(1)-g(6)).*(g(1)-g(7)).*(g(1)-g(8)).*(g(1)-g(9)).*(g(1)-g(10));

b(i)=(x(i)-g(1)).*(x(i)-g(3)).*(x(i)-g(4)).*(x(i)-g(5)).*(x(i)-g(6)).*(x(i)-g(7)).*(x(i)-g(8)).*(x(i)-g(9)).*(x(i)-g(10));

b1(i)=(g(2)-g(1)).*(g(2)-g(3)).*(g(2)-g(4)).*(g(2)-g(5)).*(g(2)-g(6)).*(g(2)-g(7)).*(g(2)-g(8)).*(g(2)-g(9)).*(g(2)-g(10));

c(i)=(x(i)-g(2)).*(x(i)-g(1)).*(x(i)-g(4)).*(x(i)-g(5)).*(x(i)-g(6)).*(x(i)-g(7)).*(x(i)-g(8)).*(x(i)-g(9)).*(x(i)-g(10));

c1(i)=(g(3)-g(2)).*(g(3)-g(1)).*(g(3)-g(4)).*(g(3)-g(5)).*(g(3)-g(6)).*(g(3)-g(7)).*(g(3)-g(8)).*(g(3)-g(9)).*(g(3)-g(10));

d(i)=(x(i)-g(2)).*(x(i)-g(3)).*(x(i)-g(1)).*(x(i)-g(5)).*(x(i)-g(6)).*(x(i)-g(7)).*(x(i)-g(8)).*(x(i)-g(9)).*(x(i)-g(10));

d1(i)=(g(4)-g(2)).*(g(4)-g(3)).*(g(4)-g(1)).*(g(4)-g(5)).*(g(4)-g(6)).*(g(4)-g(7)).*(g(4)-g(8)).*(g(4)-g(9)).*(g(4)-g(10));

e(i)=(x(i)-g(2)).*(x(i)-g(3)).*(x(i)-g(4)).*(x(i)-g(1)).*(x(i)-g(6)).*(x(i)-g(7)).*(x(i)-g(8)).*(x(i)-g(9)).*(x(i)-g(10));

e1(i)=(g(5)-g(2)).*(g(5)-g(3)).*(g(5)-g(4)).*(g(5)-g(1)).*(g(5)-g(6)).*(g(5)-g(7)).*(g(5)-g(8)).*(g(5)-g(9)).*(g(5)-g(10));

ff(i)=(x(i)-g(2)).*(x(i)-g(3)).*(x(i)-g(4)).*(x(i)-g(5)).*(x(i)-g(1)).*(x(i)-g(7)).*(x(i)-g(8)).*(x(i)-g(9)).*(x(i)-g(10));

ff1(i)=(g(6)-g(2)).*(g(6)-g(3)).*(g(6)-g(4)).*(g(6)-g(5)).*(g(6)-g(1)).*(g(6)-g(7)).*(g(6)-g(8)).*(g(6)-g(9)).*(g(6)-g(10));

```

gg(i)=(x(i)-g(2)).*(x(i)-g(3)).*(x(i)-g(4)).*(x(i)-g(5)).*(x(i)-g(6)).*(x(i)-g(1)).*(x(i)-
g(8)).*(x(i)-g(9)).*(x(i)-g(10));
gg1(i)=(g(7)-g(2)).*(g(7)-g(3)).*(g(7)-g(4)).*(g(7)-g(5)).*(g(7)-g(6)).*(g(7)-
g(1)).*(g(7)-g(8)).*(g(7)-g(9)).*(g(7)-g(10));
h(i)=(x(i)-g(2)).*(x(i)-g(3)).*(x(i)-g(4)).*(x(i)-g(5)).*(x(i)-g(6)).*(x(i)-g(7)).*(x(i)-
g(1)).*(x(i)-g(9)).*(x(i)-g(10));
h1(i)=(g(8)-g(2)).*(g(8)-g(3)).*(g(8)-g(4)).*(g(8)-g(5)).*(g(8)-g(6)).*(g(8)-
g(7)).*(g(8)-g(1)).*(g(8)-g(9)).*(g(8)-g(10));
ii(i)=(x(i)-g(2)).*(x(i)-g(3)).*(x(i)-g(4)).*(x(i)-g(5)).*(x(i)-g(6)).*(x(i)-g(7)).*(x(i)-
g(8)).*(x(i)-g(1)).*(x(i)-g(10));
ii1(i)=(g(9)-g(2)).*(g(9)-g(3)).*(g(9)-g(4)).*(g(9)-g(5)).*(g(9)-g(6)).*(g(9)-
g(7)).*(g(9)-g(8)).*(g(9)-g(1)).*(g(9)-g(10));
j(i)=(x(i)-g(2)).*(x(i)-g(3)).*(x(i)-g(4)).*(x(i)-g(5)).*(x(i)-g(6)).*(x(i)-g(7)).*(x(i)-
g(8)).*(x(i)-g(9)).*(x(i)-g(1));
j1(i)=(g(10)-g(2)).*(g(10)-g(3)).*(g(10)-g(4)).*(g(10)-g(5)).*(g(10)-g(6)).*(g(10)-
g(7)).*(g(10)-g(8)).*(g(10)-g(9)).*(g(10)-g(1));

f(i)=((a(i)./a1(i)).*err(1))+((b(i)./b1(i)).*err(2))+((c(i)./c1(i)).*err(3))+((d(i)./d1(i)).*
err(4))+((e(i)./e1(i)).*err(5))+((ff(i)./ff1(i)).*err(6))+((gg(i)./gg1(i)).*err(7))+((h(i)./h1
(i)).*err(8))+((ii(i)./ii1(i)).*err(9))+((j(i)./j1(i)).*err(10))
end
plot(x(1:n),f(1:n));
f(i);
bio1;
av_err=sqrt(sum(err.^2)/N)
final_data=abs(T(2)-(T(1).*L(1)+L(2)))*.9
if final_data < av_err
    fprintf('the data is followed by the average integration of polynomial interpolation')
else
    fprintf('the data is not followed by the average integration of polynomial
interpolation')
end
area_app=0.5.*(max(g)-min(g)).*(L(1).*max(g)+L(2)+L(1).*min(g)+L(2));

%=====
Result of the data
%=====

file #1 EF- family + RBA3
g=[16 12 12 10 7 7 11 7 9 20 22 8 32];
s=[23 23 21 16 7 7 15 8 16 37 38 8 90];
L=[2.8521 -14.345];
T=[31 72];
av_err = bio2(g,s,L,T)
av_err =
    5.7537
final_data =

```

2.0701

the data is followed by the average integration of polynomial interpolation
then accept this experiment

file #2 EF- genus + RBA1

$g=[23\ 20\ 19\ 16\ 7\ 7\ 15\ 8\ 15\ 32\ 35\ 8\ 65\];$

$s=[23\ 23\ 21\ 16\ 7\ 7\ 15\ 8\ 16\ 37\ 38\ 8\ 90\];$

$L=[1.2864\ -3.3936];$

$T=[74\ 86];$

$av_err = bio2(g,s,L,T)$

$av_err =$

3.1445

$final_data =$

5.8000

the data is not followed by the average integration of polynomial interpolation
then reject this experiment

file #3 EF- genus + RBA2

$g=[23\ 20\ 19\ 16\ 7\ 7\ 15\ 8\ 15\ 32\ 35\ 8\ 65\ 57];$

$s=[23\ 23\ 21\ 16\ 7\ 7\ 15\ 8\ 16\ 37\ 38\ 8\ 90\ 61];$

$L=[1.2848\ -3.5804];$

$T=[57\ 61];$

$av_err = bio2(g,s,L,T)$

$v_err =$

3.8507

$final_data =$

8.6532

the data is not followed by the average integration of polynomial interpolation
then reject this experiment

file #4 EF- genus + RBA3

$g=[23\ 20\ 19\ 16\ 7\ 7\ 15\ 8\ 15\ 32\ 35\ 8\ 65\];$

$s=[23\ 23\ 21\ 16\ 7\ 7\ 15\ 8\ 16\ 37\ 38\ 8\ 90\];$

$L=[1.3131\ -3.924];$

$T=[62\ 72];$

$av_err = bio2(g,s,L,T)$

$av_err =$

2.9613

$final_data =$

2.8756

the data is followed by the average integration of polynomial interpolation
then accept this experiment

file #5 DI- genus + RBA1

g=[31 26 20 24 18 21 34 4 13 25 23 14 25 27 27 22 11 25 12 12 19 36 23 8 23 20 19
16 7 7 15 8 15 32 35 8 15 13 16 16 8 14 10 1 12 12 14 7 16 9 15 12 4 7 8 5 8 16 10 7];
s=[32 27 20 24 18 22 34 5 14 27 23 14 28 27 30 25 12 29 13 14 20 38 25 13 23 23 21
16 7 7 15 8 16 37 38 8 17 14 17 17 10 15 10 1 12 12 15 7 18 9 15 12 4 8 9 5 10 18 10
7];

L=[1.1159 -0.7026];

T=[74 86];

av_err = bio2(g,s,L,T)

av_err =

1.2677

final_data =

1.0232

the data is followed by the average integration of polynomial interpolation
then accept this experiment

file #6 DI- genus + RBA2

g=[31 26 20 24 18 21 34 4 13 25 23 14 25 27 27 22 11 25 12 12 19 36 23 8 23 20 19
16 7 7 15 8 15 32 35 8 15 13 16 16 8 14 10 1 12 12 14 7 16 9 15 12 4 7 8 5 8 16 10 7];
s=[32 27 20 24 18 22 34 5 14 27 23 14 28 27 30 25 12 29 13 14 20 38 25 13 23 23 21
16 7 7 15 8 16 37 38 8 17 14 17 17 10 15 10 1 12 12 15 7 18 9 15 12 4 8 9 5 10 18 10
7];

L=[1.062 0.0969];

T=[57 61];

av_err = bio2(g,s,L,T)

av_err =

1.1722

final_data =

0.3691

the data is followed by the average integration of polynomial interpolation
then accept this experiment

file #7 DI- genus + RBA3

g=[31 26 20 24 18 21 34 4 13 25 23 14 25 27 27 22 11 25 12 12 19 36 23 8 23 20 19
16 7 7 15 8 15 32 35 8 15 13 16 16 8 14 10 1 12 12 14 7 16 9 15 12 4 7 8 5 8 16 10 7];
s=[32 27 20 24 18 22 34 5 14 27 23 14 28 27 30 25 12 29 13 14 20 38 25 13 23 23 21
16 7 7 15 8 16 37 38 8 17 14 17 17 10 15 10 1 12 12 15 7 18 9 15 12 4 8 9 5 10 18 10
7];

L=[1.1036 -0.5058];

T=[62 72];

av_err = bio2(g,s,L,T)

av_err =

1.2326

final_data =

1.0053

the data is followed by the average integration of polynomial interpolation
then accept this experiment

file #8 DI- family + RBA1

```
g=[22 19 13 17 12 14 19 3 10 18 17 9 18 18 17 14 9 16 10 8 13 17 14 7 16 12 12 10 7
7 11 7 9 20 22 8 11 12 12 12 7 9 8 1 11 11 10 6 11 8 10 10 3 6 7 4 7 12 9 7];
s=[32 27 20 24 18 22 34 5 14 27 23 14 28 27 30 25 12 29 13 14 20 38 25 13 23 23 21
16 7 7 15 8 16 37 38 8 17 14 17 17 10 15 10 1 12 12 15 7 18 9 15 12 4 8 9 5 10 18 10
7];
```

```
L=[2.1512 -6.8604];
```

```
T=[32 86];
```

```
av_err = bio2(g,s,L,T)
```

```
av_err =
```

```
3.3317
```

```
final_data =
```

```
24.0220
```

the data is not followed by the average integration of polynomial interpolation
then reject this experiment

file #9 DI- family + RBA2

```
g=[22 19 13 17 12 14 19 3 10 18 17 9 18 18 17 14 9 16 10 8 13 17 14 7 16 12 12 10 7
7 11 7 9 20 22 8 11 12 12 12 7 9 8 1 11 11 10 6 11 8 10 10 3 6 7 4 7 12 9 7];
s=[32 27 20 24 18 22 34 5 14 27 23 14 28 27 30 25 12 29 13 14 20 38 25 13 23 23 21
16 7 7 15 8 16 37 38 8 17 14 17 17 10 15 10 1 12 12 15 7 18 9 15 12 4 8 9 5 10 18 10
7];
```

```
T=[30 61];
```

```
av_err = bio2(g,s,L,T)
```

```
av_err =
```

```
3.3317
```

```
final_data =
```

```
3.3244
```

the data is followed by the average integration of polynomial interpolation
then accept this experiment

file #10 DI- family + RBA3

```
g=[22 19 13 17 12 14 19 3 10 18 17 9 18 18 17 14 9 16 10 8 13 17 14 7 16 12 12 10 7
7 11 7 9 20 22 8 11 12 12 12 7 9 8 1 11 11 10 6 11 8 10 10 3 6 7 4 7 12 9 7];
s=[32 27 20 24 18 22 34 5 14 27 23 14 28 27 30 25 12 29 13 14 20 38 25 13 23 23 21
16 7 7 15 8 16 37 38 8 17 14 17 17 10 15 10 1 12 12 15 7 18 9 15 12 4 8 9 5 10 18 10
7];
```

```
L=[2.0043 -5.3457];
```

```
T=[31 72];
```

```
av_err = bio2(g,s,L,T)
```

```
av_err =
```

```
3.0090
```

final_data =

15.2124

the data is not followed by the average integration of polynomial interpolation
then reject this experiment

file #11 EF - family + RBA1

g=[16 12 12 10 7 7 11 7 9 20 22 8 32];

s=[23 23 21 16 7 7 15 8 16 37 38 8 90];

L=[3.046 -16.388];

T=[32 86];

av_err = bio2(g,s,L,T)

av_err =

5.8349

final_data =

4.9160

the data is followed by the average integration of polynomial interpolation
then accept this experiment

file #12 EF- family + RBA2

g=[16 12 12 10 7 7 11 7 9 20 22 8 32];

s=[23 23 21 16 7 7 15 8 16 37 38 8 90];

L=[2.7173 -12.972];

T=[30 61];

av_err = bio2(g,s,L,T)

av_err =

5.9247

final_data =

7.5470

the data is not follow by the average integration of polynomial interpolation
then reject this experiment

ลิขสิทธิ์มหาวิทยาลัยเชียงใหม่

Copyright © by Chiang Mai University

All rights reserved

ภาคผนวก ก
คำอธิบายอักษรย่อ

RBA1	แทนข้อมูลที่ได้จากเดือน มกราคม 2548
RBA2	แทนข้อมูลที่ได้จากเดือน กันยายน 2548
RBA3	แทนข้อมูลที่ได้จากเดือน มกราคม 2549
DI	แทนข้อมูลที่ได้จากการเก็บตัวอย่างแมงมุมในอุทยานแห่งชาติดอยอินทนนท์ทั้งปี ทุกระดับความสูงของ Dankittipakul (2002)
EF	แทนข้อมูลที่ได้จากการเก็บตัวอย่างแมงมุมในอุทยานแห่งชาติดอยอินทนนท์ทั้งปี เฉพาะที่บริเวณความสูง 1510 เมตรเหนือระดับน้ำทะเลของ Dankittipakul (2002)
SS	แทนข้อมูลที่เก็บตัวอย่างด้วยวิธีการร่อนหน้าดิน (Soil sifting)
SW	แทนข้อมูลที่เก็บตัวอย่างด้วยวิธีการการใช้สวิง (Sweeping)
PT	แทนข้อมูลที่เก็บตัวอย่างด้วยวิธีการกับดักหลุมพราง (Pitfall trap)
BT	แทนข้อมูลที่เก็บตัวอย่างด้วยวิธีการตีและเขย่าต้นไม้ (Beating)
VS	แทนข้อมูลที่เก็บตัวอย่างด้วยวิธีการการสำรวจโดยการค้นหา (Visual search)

ภาคผนวก ง
บัญชีรายชื่อแมงมุมที่พบในการศึกษา

No.		RBA1	RBA2	RBA3	Methods
	LIPHISTIIDAE Thorell, 1869				
1	<i>Liphistius yamasakii</i> Ono, 1988	3	2	1	VS
	HEXATHELIDAE Simon, 1892				
2	<i>Macrothele</i> sp.	3	4		SS
	CTENIZIDAE Thorell, 1887				
3	<i>Conothele</i> sp.	1	5	4	SS
	NEMESIIDAE Simon, 1892				
4	<i>Damarchus</i> sp.		5	1	SS
	THERAPHOSIDAE Thorell, 1870				
5	<i>Phlogiellus</i> sp.		1	1	SS
	SCYTODIDAE Blackwall, 1864				
6	<i>Scytodes</i> sp.	2			VS
	OCHYRO CERATIDAE Fage, 1912				
7	<i>Altheopus stonei</i> Deeleman-Reinhold, 1995		3	4	SS,PT,VS
8	<i>Psiloderces septentrionalis</i> Deeleman-Reinhold, 1995	1			PT
	PHOLCIDAE C. L. Koch, 1851				
9	<i>Belisana</i> sp.	51	40	31	SS,SW,BT,VS
10	<i>Spermophora</i> sp.	5	3	5	SS,PT,VS
	TETRABLEMMIDAE O. Pickard-Cambridge, 1873				
11	<i>Perania nasuta</i> Schwendinger, 1989	3		2	SS,VS
12	<i>Alblemma</i> sp.	59	15	51	SS
13	<i>Tetrablemms</i> sp.	3	3	7	SS
	OONOPIIDAE Simon, 1890				
14	<i>Gamasomorpha</i> sp.	3	1	2	SS
15	<i>Ischnothyreus</i> sp.		2	9	BT,VS,SS,PT
16	<i>Opopaea</i> sp.	3			

17	<i>Orchestina</i> sp.	28			SS,PT,BT
	NESTICIDAE Simon, 1894				
17	<i>Nesticella</i> sp.	1		1	SW,SS
	THERIDIIDAE Sundevall, 1833				
18	<i>Achaearanea longiducta</i>	3			BT
19	<i>Coleosoma</i> sp.	1			SS
20	<i>Chryso</i> sp.	7	9	2	SS,SW,BT
21	<i>Dipoena turriceps</i> Schenkel, 1936	3	2	1	BT,PT
22	<i>Dipoena</i> cf. <i>mustelina</i> (Simon, 1889)	2			BT
23	<i>Episinus</i> sp.	2			BT
24	<i>Molione</i> cf. <i>triacantha</i> Thorell, 1892			2	BT
25	<i>Moneta mirabilis</i> Bösenberg & Strand, 1906		3	8	BT
26	<i>Moneta</i> sp. A	20		1	SW,BT
27	<i>Moneta</i> sp. B	2			SW
28	<i>Theridion</i> sp. A	1	1	1	SS,BT,PT
29	<i>Theridion</i> sp. B	1			BT
30	<i>Theridion</i> sp. C		20		
31	Theridiidae gen. sp. A	2	11	2	SS,SW,BT
32	Theridiidae gen. sp. B	1	4	2	SS,BT,SW,PT
33	Theridiidae gen. sp. C		2	1	BT
34	<i>Steatoda</i> sp.			1	SS
	ANAPIDAE Simon, 1895				
35	<i>Metanapis</i> sp.		2	3	SW,SS,PT
36	<i>Sinanapis</i> sp.	2			SS
	MYSMENIDAE Petrunkevitch, 1928				
37	<i>Mysmena</i> sp.1	11			SS,PT,BT
38	<i>Mysmena</i> sp.2	1			PT
39	Mysmenidae gen. sp.			1	SW
	LINYPHIIDAE Blackwall, 1859				
40	LINYPHIIDAE sp1			1	SW

41	LINYPHIIDAE sp2		1		SW
42	LINYPHIIDAE sp3	1	2		SW,SS
43	<i>Cyphonetria thaia</i>	19			SS,PT
44	<i>Diplophrys pallida</i>	1			PT
45	<i>Erigone</i> sp.	1	2		BT,SS
46	<i>Linyphia</i> sp.	3			SS
47	<i>Nasoona</i> sp.	229			SS,SW,BT
48	<i>Neriene macella</i>	1			SW
49	<i>Meioneta</i> sp.	5			SS
50	<i>Oedothorax</i> cf. <i>hulongensis</i> Zhu & Wen, 1980		14	116	SS,SW,BT,PT
51	<i>Oedothorax</i> sp. 2 B6	3			BT
52	<i>Oedothorax</i> sp 3 B11	1			BT
53	<i>Pronasoona aurata</i> Millidge, 1995		29	29	PT,SS
TETRAGNATHIDAE Menge, 1866					
54	<i>Leucauge</i> sp.			34	SS,SW,BT
55	<i>Metinae</i> gen. sp.		5		SW,BT
56	<i>Orsinome</i> sp.		1		SW
57	Tetragnathidae gen. sp.	1			SW
58	unidentifiable juvenile Tetragnathidae	99			SS,BT
ARANEIDAE Simon, 1895					
59	<i>Araneus himalayaensis</i> Tikader, 1975	11	3		SW,BT
60	<i>Araneus dehaanii</i>	1			SW
61	<i>Araneus</i> sp. A	1	5	2	SS,SW,BT
62	<i>Araneus</i> sp. B	1		8	BT
63	<i>Chorizopes shimenensis</i> Yin and Peng, 1994	2			BT
64	<i>Cyclosa</i> sp.			2	BT
65	<i>Eriophrora</i> sp.		1		SW
66	<i>Neoscona theisi</i> Walckenaer, 1841	6			SW,BT
67	<i>Paravixia Dehaanii</i>	1			BT
68	Aranedae gen. sp.		1	1	SS

69	<i>Zygiella calyptrata</i> Workman, 1984		2		BT
	LYCOSIDAE Sundevall, 1833				
70	LYCOSIDAE gen. sp.			1	SS
	OXYOPIIDAE Thorell, 1870				
71	<i>Oxyopes</i> sp.		1		BT
72	<i>Hamataliwa</i> sp.		3	1	SW,BT
	PSECHRIDAE Simon, 1890				
73	<i>Psechrus gehcuanus</i> Thorell, 1897		2	1	VS
	CTENIDAE Keyserling, 1877				
74	<i>Ctenus</i> sp. A	14	14	37	SS,PT,VS
75	Ctenidae gen. sp.			1	SS
	AGELENIDAE C. L. Koch, 1837				
76	AGELENIDAE gen. sp.	3		1	SS
77	<i>Tegenaria</i> sp.		1		SS
	HAHNIIDAE Bertkau, 1878				
78	<i>Hahnia</i> cf. <i>liangdangensis</i> Tang, Yang & Kim, 1996	5	1	2	SS
79	Hahnidae gen. sp.			1	SS
	DICTYNIDAE O. Pickard-Cambridge, 1871				
80	<i>Dictyna</i> sp.	54		2	SS,SW
81	<i>Lathys</i> sp.1	10	37	101	SS,PT
82	<i>Lathys</i> sp.2	1			BT
	AMAUROBIIDAE Thorell, 1870				
83	<i>Draconarius elatus</i>	2	6	11	SS,VS
84	<i>Draconarius abbreviatus</i> Dankittipakul & Wang, 2003	42			SS,VS
85	<i>Draconarius siamensis</i> Dankittipakul & Wang, 2003		4	3	SS,PT,VS
	MITURGIDAE Simon, 1885				
86	<i>Cheiracanthium</i> sp.	1			BT
	LIOCRANIDAE Simon, 1897				
87	<i>Otacilia zebra</i> Deeleman-Reinhold, 2001	28	3	22	SS,PT
88	<i>Sesieutes schwendingeri</i> Deeleman-Reinhold, 2001	12			SS

CLUBIONIDAE Wagner, 1887

89	<i>Clubiona</i> cf. <i>bonicula</i> Ono, 1994	21	9		
90	<i>Clubiona</i> sp. A			1	BT
91	<i>Clubiona</i> sp. B	9			SS,SW,BT
92	<i>Xantharia</i> sp.	1			BT

CORINNIDAE Karsch, 1880

93	<i>Apochinomma nitidum</i> Thorell (1895)		6	5	SS,VS
94	<i>Corinna gulosa</i>	4			SW
95	<i>Corinna</i> sp.	5			BT
96	<i>Oedignatha barbata</i> Deeleman-Reinhold, 2001	78	27	31	SS,VS
97	<i>Utivarachna</i> cf. <i>kinabaluensis</i> Deeleman-Reinhold, 2001		19	9	SS,SW,BT

ZODARIIDAE Thorell, 1881

98	<i>Asceua</i> sp.	36	27	37	SS,PT
99	<i>Cydrela</i> sp.	7	11	8	SS
100	<i>Euryeidon monticola</i> Dankittipakul & Jocqué, 2004	4	2	1	SS,PT
101	<i>Mallinella</i> sp.	17	6	8	SS,VS

CRYTHOTHELIDAE

102	<i>Cryptothele</i> sp.	2	1		SS,PT
-----	------------------------	---	---	--	-------

SPARASSIDAE Bertkau, 1872

103	<i>Heteropoda</i> sp.	8	8	2	SS,BT,SW
104	<i>Pseudopoda exigua</i> (Fox, 1938)		16		SS
105	<i>Pseudopoda</i> cf. <i>parvipunctata</i> Jäger, 2001		6		VS
106	<i>Pseudopoda</i> sp.	147		72	SS,PT,BT,VS
107	<i>Sinopoda</i> sp.	5	9		BT

PHILODROMIDAE Thorell, 1870

108	<i>Philodromus</i> cf. <i>assamensis</i> Tikader, 1962		9	2	BT
109	<i>Philodromus</i> sp.	12	3		SW,BT

THOMISIDAE Sundevall, 1833

110	<i>Diaea</i> sp.	8	0		SW,BT
111	<i>Lysiteles</i> cf. <i>kunmingensis</i> Song & Zhao, 1994	25	15	12	SS,SW,BT

112	<i>Tmarus</i> sp.	2	0	2	BT	
113	Thomisidae gen. sp.1			1	SW	
114	Thomisidae gen. sp.2			1	BT	
SALTICIDAE Blackwall, 1841						
115	<i>Cheliceroides</i> sp.			3	SW	
116	<i>Epeus</i> sp.			10	1	BT,SS
117	<i>Euophrys</i> sp.	29			SS,PT	
118	<i>Evarcha orientalis</i> Song & Chai, 1992		1	2	BT,SW	
119	<i>Myrmarachne</i> cf. <i>elongata</i> Szombathy, 1915	5	1	7	SW,BT,SS	
120	<i>Plexippus petersi</i> (Karsch, 1878)		1			
121	<i>Saitis</i> sp.1			32	SS	
122	<i>Saitis</i> sp.2			1	SS	
123	<i>Spartaeus</i> sp.	8		1	SW,BT	
124	<i>Synagelides</i> sp.	7			SS,SW	
125	<i>Telamonia</i> cf. <i>caprina</i> (Simon, 1903)	2			SW,BT	
126	<i>Yaginumaella</i> sp.		1		VS	
127	salticidae gen. sp.	1	5	5	SS,BT	
		1233	458	770		

ประวัติผู้เขียน

ชื่อ	ชนภูมิ จามิกรานนท์
วัน เดือน ปี เกิด	12 มิถุนายน 2524
ประวัติการศึกษา	สำเร็จการศึกษาระดับประถมศึกษา โรงเรียนศรีเวียงสาวิทยาคารปีการศึกษา 2536 สำเร็จการศึกษาระดับมัธยมศึกษาตอนต้น โรงเรียนน่านคริสเตียนศึกษาปีการศึกษา 2539 สำเร็จการศึกษาระดับมัธยมศึกษาตอนปลาย โรงเรียนสตรีศรีน่านปีการศึกษา 2542 ปริญญาวิทยาศาสตรบัณฑิต สาขาวิชาชีววิทยา มหาวิทยาลัยเชียงใหม่ปีการศึกษา 2546

ลิขสิทธิ์มหาวิทยาลัยเชียงใหม่
Copyright © by Chiang Mai University
All rights reserved