

เอกสารอ้างอิง

- จำลอง คำผาเชื้อ. 2550. การประยุกต์เทคนิคการวิเคราะห์หลายตัวแปรกับข้อมูลดีเอ็นเอ ไมโครอาร์เรย์. วิทยานิพนธ์วิทยาศาสตรมหาบัณฑิต. สาขาวิชาวิทยาการคอมพิวเตอร์ คณะวิทยาศาสตร์ มหาวิทยาลัยเชียงใหม่.
- ชโลธร เหลี่ยมวิรัช. 2546. ระบบการจัดกลุ่มข้อมูลการถอดรหัสพันธุกรรมของดีเอ็นเอ. วิทยานิพนธ์วิทยาศาสตรมหาบัณฑิต. สาขาวิชาวิทยาการคอมพิวเตอร์ คณะวิทยาศาสตร์ มหาวิทยาลัยเชียงใหม่.
- “เทคโนโลยีชีวภาพทางการแพทย์.” สารานุกรมไทยสำหรับเยาวชนฯ, เล่มที่ 28, 2547. [ระบบออนไลน์]. แหล่งที่มา <http://kanchanapisek.or.th/kp6/BOOK28/chapter5/chap5.htm> (22 ธันวาคม 2550).
- ประสิทธิ์ ผลิตผลการพิมพ์. 2550. “พันธุกรรมมนุษย์เกี่ยวข้องกับจริยธรรมอย่างไร.” [ระบบออนไลน์]. แหล่งที่มา <http://library.uru.ac.th/webdb/images/Bioideal.doc> (22 ธันวาคม 2550).
- ออมพิไล มโนรัตน์. 2548. การทำนายเครือข่ายการควบคุมยีนจากข้อมูลไมโครอาร์เรย์ของดีเอ็นเอด้วยเทคนิคเครือข่ายเบย์เซียน. วิทยานิพนธ์วิทยาศาสตรมหาบัณฑิต. สาขาวิชาวิทยาการคอมพิวเตอร์ คณะวิทยาศาสตร์ มหาวิทยาลัยเชียงใหม่.
- A. Delcher, D. Harmon, S. Kasif, O. White, and S. Salzberg, “Improved microbial gene identification with GLIMMER,” *Nucleic Acids Research* 27(23), 1999, pp. 4636-4641.
- A. Delcher, K. Bratke, E. Powers, and S. Salzberg, “Identifying bacterial genes and endosymbiont DNA with Glimmer,” *Bioinformatics* 23(6) (Advance online version 2007), 15 March 2007, pp. 673-679.
- C. Burge, and S. Karlin, “Prediction of complete gene structures in human genomic DNA,” *J. Mol. Biol.* 268, 1997, pp. 78-94.
- D. Kulp, D. Haussler, M.G. Reese, and F.H. Eeckman., “A generalized hidden Markov model for the recognition of human genes in DNA,” *Intell. Systems Mol. Biol.* 4, 1996, pp. 134-142.

- Draghici, S 2003. Data Analysis Tool For DNA Microarray. A CRC Press Company :London, UK.
- Fickett J.W., “Recognition of protein coding regions in DNA sequences,” *Nucleic Acids Research* 10(17), 1982, pp. 5303-5318.
- Fox, J. 2007. “Applied Statistics with R Note on Logistic Regression for R Programming.” [Online]. Available <http://statmath.wu-wien.ac.th/courses/StatsWithR/Topic-6.pdf> (3 June 2007)
- M. Borodovsky, and J. McIninch, “GENMARK:Parallel gene recognition for both DNA strands,” *Computers & Chemistry* 17(2), 1993, pp. 123-134.
- S. Salzberg, A. Delcher, S. Kasif, and O. White, “Microbial gene identification using interpolated Markov models,” *Nucleic Acids Research* 26(3), 1998, pp. 544-548.
- Snyder, Eric E., Stormo, Gary D., “Identification of Coding Regions in Genomic DNA Sequences:An Application of Dynamic Programming and Neural Networks,” *Nucleic Acids Research* 21(3), 1993, pp 607-613.
- W. N. Venables, D. M. Smith, and the R Development Core Team, *An Introduction to R* [Online], Available <http://www.r-project.org> (27 August 2007).