

บรรณานุกรม

กาญจนา มะลิกรรม. โครงสร้าง DNA และคุณสมบัติ DNA. [อินเทอร์เน็ต].

[เข้าถึงเมื่อ 15 กรกฎาคม 2556] เข้าถึงได้จาก <http://malikangenetic.blogspot.com>

โชติกา หยกทองวัฒนา. เอพิเจเนติก-การควบคุมเหนือลำดับดีเอ็นเอ. Thai J. 2011, 4(2):

71-84

พันธุศาสตร์...ศาสตร์แห่งชีวิต. [อินเทอร์เน็ต]. [เข้าถึงเมื่อ 15 กรกฎาคม 2556] เข้าถึงได้จาก:

<http://www.thaigoodview.com/library/contest2552/type2/science04/27/contents/genetics-8e01.html>

วิฑูรย์ ทะสุยะ และ ชานินทร์ ภูพัฒน์. SOP DNA Analysis for Forensic Medicine.

เชียงใหม่: ภาควิชานิติเวชศาสตร์ คณะแพทยศาสตร์ มหาวิทยาลัยเชียงใหม่, 2005

Baron U, Turbachova I, Hellweg A, Eckhardt f, Burlin K, Hoffmuller U, et al. DNA Methylation

Analysis as a Tool for Cell Typing. Epigenetics 2006; 1: 55-60

Bird A. Perception of epigenetics. Nature 2007; 447: 396-98

Byun HM, Siemund KD, Pan F, Weisenberger DJ, Kanel G, Laird PW and Yang AS. Epigenetic

profiling of somatic from human autopsy specimens identifies tissue and individual specific DNA methylation patterns. Hum. Mol. Gen 2009; 18: 4808-17

DNA amplification & PCR. [Internet]. [Cited 15 July 2013]. Available from:

<https://www.neb.com/applications/dna-amplification-and-pcr>

Frumkin D, Wasserstrom A, Budowle B, Davidson A. DNA methylation-based forensic tissue identification. *Forensic sci int* 2011; 5: 517-24

Gel electrophoresis and analysis. [Internet]. [cited 15 July 2013]. available from:

[http://biology.arizona.edu/sciconn/lessons2/alongi/Lesson5\\_3.htm](http://biology.arizona.edu/sciconn/lessons2/alongi/Lesson5_3.htm)

Grewal SI and Jia S. Heterochromatin revisited. *Nat Rev Genet* 2007; 8: 35–46.

Gomes I, Kohlmeire F, Schneider PM. Genetic markers for body fluid and tissue identification in forensics. *Forensic sci int* 2011; 3: 469-70

Hyun J, Choi A, Shin KJ, Yang WI, Lee HY. DNA Methylation- specific multiplex assays for body fluid identification. *Int J Legal med* 2013; 127: 35-43

Lee HY, Park MJ, Choi A, Ann JH, Yang WI, Shin KJ. Potential forensic application of DNA methylation profiling to body fluid identification. *Int J Legal med* 2012; 126: 55-62

Vanyushin BF and Ashapkin VV. DNA methylation in higher plants: past, present and future. *Biochim Biophys Acta* 2011; 1809: 360–68

Wadding C. The epigenotype. *Endeavour* 1942; 18-20

Yang PK and Kuroda MI. Noncoding RNAs and intranuclear positioning in monoallelic gene expression. *Cell* 2007; 128: 777–86

Zhang M, Kimatu JN, Xu K and Lui B. DNA cytosine methylation in plant development. *J. Genet. Genomics* 2010; 37: 1–12